



Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		4374	33	634-666	G GATCC				
		4420	28	1321-1348	BanI	6	466	2407	2790-465
		4510	6	1349-1354	G GYRCC		649	846	1909-2754
AlwI	17	596	1216	1408-2623			1376	727	649-1375
GGATCNNNN		1123	1211	4116-595			1909	533	1376-1908
GATCCNNNNN		1307	527	596-1122			2755	183	466-648
		1399	378	3181-3558			2790	35	2755-2789
		1401	359	3573-3931	BanII	5	1351	2251	3831-1350
		1408	311	2624-2934	GRGCY C		1388	1174	1947-3120
		2624	184	1123-1306			1947	710	3121-3830
		2935	166	3015-3180			3121	559	1388-1946
		3015	92	1307-1398			3831	37	1351-1387
		3181	84	3946-4029	BbeI	1	2759	4731	2759-2758
		3559	80	2935-3014	GGCGC C				
		3573	73	4043-4115	BbvI	19	788	1174	4345-787
		3932	14	3559-3572	GCAGCNNNNNNNN		865	665	2067-2731
		3946	14	3932-3945	GCTGCNNNNNNNNNN		149	523	1544-2066
		4030	13	4030-4042			1156	453	3392-3844
		4043	7	1401-1407			1211	383	3009-3391
		4116	2	1399-1400			1214	330	1214-1543
AlwNI	2	3857	4323	4265-3856			1544	284	865-1148
CAGNNN CTG		4265	408	3857-4264			2067	230	3845-4074
Apal	1	1388	4731	1388-1387			2732	206	4075-4280
GGGCC C							2829	97	2732-2828
ApaLI	1	4360	4731	4360-4359			2871	93	2916-3008
G TGCAC							2916	77	788-864
ApoI	4	1360	4406	1685-1359			3009	61	4284-4344
R AATTY		1570	210	1360-1569			3392	55	1156-1210
		1674	104	1570-1673			3845	45	2871-2915
		1685	11	1674-1684			4075	42	2829-2870
Asel	1	8	4731	8-7			4281	7	1149-1155
AT TAAT							4284	3	1211-1213
Asp718I	1	1376	4731	1376-1375			4345	3	4281-4283
G GTACC					Bcgl	1	703	4731	703-702
AvaI	2	1344	4688	1387-1343	NNNNNNNNNNNCGAN...				
CYCGRG		1387	43	1344-1386	NNNNNNNNNNNGCANN...				
AvaII	3	1270	2284	3717-1269	BcII	1	1413	4731	1413-1412
G WCC		3272	2002	1270-3271	T GATCA				
		3717	445	3272-3716	BgII	4	91	2291	2531-90
AvrII	2	2578	3716	3593-2577	GCCNNNN NGGC		213	2247	284-2530
C CTAGG		3593	1015	2578-3592			284	122	91-212
BamHI	1	1391	4731	1391-1390			2531	71	213-283
					BgIII	1	1340	4731	1340-1339
					A GATCT				

Sites					Fragments					
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
BsaAI	3	341	2012	3060-340			4340	997	4340-605	
YAC GTR		1872	1531	341-1871						
		3060	1188	1872-3059						
BsaBI	2	1418	3534	2615-1417		BsiHKAI	5	1223	1590	4364-1222
GATNN NNATC		2615	1197	1418-2614		GWGCW C		1351	1518	1351-2868
							2869	1305	3059-4363	
							3059	190	2869-3058	
BsaI	1	3761	4731	3761-3760			4364	128	1223-1350	
GGTCTCN						BsII	21	50	733	50-782
GAGACNNNNN						CCNNNNN NNGG		783	544	2737-3280
BsaJI	23	361	903	1387-2289			946	472	1296-1767	
C CNGG		612	690	3824-4513			1296	392	2094-2485	
		642	578	4514-360			1768	353	3843-4195	
		782	405	3188-3592			2094	350	946-1295	
		945	356	1024-1379			2486	326	1768-2093	
		969	341	2578-2918			2737	281	3281-3561	
		1024	269	2919-3187			3281	279	4196-4474	
		1380	251	361-611			3562	251	2486-2736	
		1387	163	782-944			3594	166	4475-4640	
		2290	140	642-781			3595	163	783-945	
		2362	127	3593-3719			3726	131	3595-3725	
		2485	123	2362-2484			3761	122	4659-49	
		2520	102	3721-3822			3811	50	3761-3810	
		2529	72	2290-2361			3812	35	3726-3760	
		2578	55	969-1023			3843	32	3562-3593	
		2919	49	2529-2577			4196	31	3812-3842	
		3188	35	2485-2519			4475	18	4641-4658	
		3593	30	612-641			4641	1	3811-3811	
		3720	24	945-968			4659	1	3594-3594	
		3721	9	2520-2528		BsmAI	5	435	1760	435-2194
		3823	7	1380-1386		GTCTCN		2195	1406	3760-434
		3824	1	3720-3720		GAGACNNNNN		2613	1019	2613-3631
		4514	1	3823-3823				3632	418	2195-2612
								3760	128	3632-3759
BsaWI	7	601	1390	1397-2786		BsmFI	10	176	1810	495-2304
W CCGGW		1331	864	4468-600		GGGACNNNNNNNNNN ...327		1171	3736-175	
		1397	844	2787-3630		GTCCNNNNNNNNNN..495		532	2907-3438	
		2787	730	601-1330				2305	466	2441-2906
		3631	690	3631-4320				2377	188	3548-3735
		4321	147	4321-4467				2441	168	327-494
		4468	66	1331-1396				2907	151	176-326
								3439	109	3439-3547
BseRI	2	644	2801	2574-643				3548	72	2305-2376
GAGGAGNNNNNNNNNN ...574			1930	644-2573				3736	64	2377-2440
CTCCTCNNNNNNNN ...						BsmI	2	1507	4634	1604-1506
						GAATGCN		1604	97	1507-1603
BsgI	3	776	4344	1163-775		GCATT C				
GTGCAGNNNNNNNNNN..839			324	839-1162						
CTGCACNNNNNNNNNN..163			63	776-838						
						BsoFI	36	773	872	4632-772
BsiEI	3	606	2059	606-2664		GC NGC		832	519	1533-2051
CGRY CG		2665	1675	2665-4339						

<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>		<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>	
Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends
	854	438	2088-2525	BspEI	1	1331	4731	1331-1330			
	1138	339	3495-3833	T CCGGA							
	1145	284	854-1137								
	1196	240	1293-1532	BspHI	2	2182	2959	3954-2181			
	1199	236	2994-3229	T CATGA		3954	1772	2182-3953			
	1293	211	3849-4059								
	1533	206	4060-4265	BspMI	3	2665	3922	3474-2664			
	2052	155	4477-4631	ACCTGCNNNN		3024	450	3024-3473			
	2074	143	4334-4476	GCAGGTNNNNNNNN  ...		3474	359	2665-3023			
	2088	139	2526-2664								
	2526	114	3381-3494	BsrBI	4	2016	3324	3423-2015			
	2665	96	3230-3325	GAG CGG		2180	1189	2180-3368			
	2717	94	1199-1292	CCG CTC		3369	164	2016-2179			
	2728	90	2728-2817			3423	54	3369-3422			
	2818	87	2901-2987								
	2823	65	4269-4333	BsrDI	1	2989	4731	2989-2988			
	2860	59	773-831	GCAATGNN							
	2901	52	2665-2716	CATTGC							
	2988	51	1145-1195								
	2991	41	3326-3366	BsrGI	1	1323	4731	1323-1322			
	2994	41	2860-2900	T GTACA							
	3230	37	2823-2859								
	3326	22	832-853	BsrI	9	299	1246	2901-4146			
	3367	22	2052-2073	ACTGGN		1228	929	299-1227			
	3381	15	3834-3848	CCAG T		1788	755	4275-298			
	3495	14	2074-2087			2466	678	1788-2465			
	3834	14	3367-3380			2700	560	1228-1787			
	3849	11	2717-2727			2901	234	2466-2699			
	4060	7	1138-1144			4147	201	2700-2900			
	4266	5	2818-2822			4262	115	4147-4261			
	4269	3	2991-2993			4275	13	4262-4274			
	4334	3	4266-4268								
	4477	3	1196-1198	BstBI	2	1358	2651	3438-1357			
	4632	3	2988-2990	TT CGAA		3438	2080	1358-3437			
Bsp120I	1	1384	4731	BstNI	16	91	1267	1025-2291			
G GGCCC				CC WGG		284	779	2364-3142			
						659	690	3825-4514			
Bsp1286I	14	654	1021			784	579	3143-3721			
GDGCH C		783	755			896	375	284-658			
		1032	710			971	193	91-283			
		1223	559			1025	173	4649-90			
		1351	533			2292	125	659-783			
		1388	249			2347	121	4528-4648			
		1947	191			2364	112	784-895			
		2702	190			3143	103	3722-3824			
		2795	129			3722	75	896-970			
		2869	128			3825	55	2292-2346			
		3059	93			4515	54	971-1024			
		3121	74			4528	17	2347-2363			
		3831	62			4649	13	4515-4527			
		4364	37								
				Bsu36I	2	2236	3099	3868-2235			

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
CC TNAGG		3868		1632	2236-3867			1042		53	1324-1376
Cac8I	34	87		591	1384-1974			1324		51	332-382
GCN NGC		280		560	4064-4623			1377		33	299-331
		594		324	818-1141			3061		25	219-243
		737		314	280-593	CviJI	89	43	289	278-566	
		770		283	3258-3540	RG CY		85	281	1973-2253	
		818		273	2032-2304			94	251	3866-4116	
		1142		254	2396-2649			278	184	94-277	
		1149		235	1149-1383			567	180	3336-3515	
		1384		219	2836-3054			634	167	1535-1701	
		1975		211	3853-4063			667	142	1722-1863	
		2018		193	87-279			687	133	1188-1320	
		2032		187	3541-3727			739	123	2367-2489	
		2305		186	2650-2835			772	122	3604-3725	
		2324		157	4661-86			787	111	4663-42	
		2377		143	594-736			831	110	1425-1534	
		2396		66	3055-3120			888	100	888-987	
		2650		56	3775-3830			988	98	4510-4607	
		2836		54	3204-3257			1036	90	4420-4509	
		3055		53	2324-2376			1056	84	2741-2824	
		3121		48	770-817			1076	83	3146-3228	
		3127		47	3728-3774			1147	81	1864-1944	
		3155		43	1975-2017			1188	81	2583-2663	
		3159		41	3159-3199			1321	79	4265-4343	
		3200		37	4624-4660			1349	76	2900-2975	
		3204		33	737-769			1355	72	2295-2366	
		3258		28	3127-3154			1386	71	1076-1146	
		3541		22	3831-3852			1425	67	567-633	
		3728		19	2305-2323			1535	65	4200-4264	
		3775		19	2377-2395			1702	63	3012-3074	
		3831		14	2018-2031			1722	61	3543-3603	
		3853		7	1142-1148			1864	57	3765-3821	
		4064		6	3121-3126			1945	57	831-887	
		4624		4	3200-3203			1959	52	687-738	
		4661		4	3155-3158			1973	48	988-1035	
Cfr10I	6	601		1793	3539-600			2254	46	4374-4419	
R CCGGY		764		1209	764-1972			2295	44	3075-3118	
		1973		1102	1973-3074			2367	44	787-830	
		3075		283	3256-3538			2490	43	4146-4188	
		3256		181	3075-3255			2519	42	43-84	
		3539		163	601-763			2525	41	1147-1187	
Clal	1	2596		4731	2596-2595			2534	41	2254-2294	
AT CGAT								2542	39	3726-3764	
Csp6I	10	219		1889	3061-218			2565	39	1386-1424	
G TAC		244		1684	1377-3060			2577	38	2862-2899	
		299		502	540-1041			2583	37	3260-3296	
		332		282	1042-1323			2664	33	739-771	
		383		157	383-539			2681	33	634-666	
		540		55	244-298			2689	31	1355-1385	
								2716	29	2490-2518	
								2741	29	4117-4145	
								2825	28	1321-1348	

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		2834	27	3516-3542			1115	1180	1415-2594
		2838	27	2689-2715	GA TC		1263	527	588-1114
		2862	27	3229-3255			1301	376	3175-3550
		2900	26	4608-4633			1342	359	3567-3925
		2976	25	2716-2740			1393	311	2618-2928
		2993	25	4344-4368			1402	148	1115-1262
		3012	24	2838-2861			1415	81	3007-3087
		3075	23	3297-3319			2595	78	2929-3006
		3119	23	2542-2564			2599	78	3097-3174
		3129	20	1702-1721			2618	78	3938-4015
		3146	20	667-686			2929	75	4035-4109
		3229	20	1036-1055			3007	51	1342-1392
		3256	20	1056-1075			3088	41	1301-1341
		3260	19	3836-3854			3097	38	1263-1300
		3297	19	2993-3011			3175	19	2599-2617
		3320	18	4634-4651			3551	16	3551-3566
		3336	17	2976-2992			3567	13	1402-1414
		3516	17	2664-2680			3926	12	3926-3937
		3543	17	3129-3145			3938	11	4024-4034
		3604	16	3320-3335			4016	9	1393-1401
		3726	15	772-786			4024	9	3088-3096
		3765	14	1959-1972			4035	8	4016-4023
		3822	14	1945-1958			4110	4	2595-2598
		3829	12	2565-2576					
		3836	11	3855-3865	DraI	3	1458	2442	1458-3899
		3855	11	4189-4199	TTT AAA		3900	2270	3919-1457
		3866	11	4652-4662			3919	19	3900-3918
		4117	10	3119-3128					
		4146	9	85-93	DraIII	1	1872	4731	1872-1871
		4189	9	2525-2533	CACNNN GTG				
		4200	9	2825-2833					
		4265	8	2681-2688	DrdI	3	1827	1986	4572-1826
		4344	8	2534-2541	GACNNNN NNGTC		2783	1789	2783-4571
		4369	7	3829-3835			4572	956	1827-2782
		4374	7	3822-3828					
		4420	6	2519-2524	DsaI	5	361	1904	3188-360
		4510	6	1349-1354	C CRYGG		612	1105	1380-2484
		4608	6	2577-2582			1380	768	612-1379
		4634	5	4369-4373			2485	703	2485-3187
		4652	4	3256-3259			3188	251	361-611
		4663	4	2834-2837					
Ddel	9	1217	1548	4400-1216	DsaV	24	89	903	1387-2289
C TNAG		1235	899	1337-2235	CCNGG		282	472	3823-4294
		1337	881	2538-3418			641	396	2362-2757
		2236	449	3419-3867			657	390	3141-3530
		2538	409	3991-4399			782	359	282-640
		3419	302	2236-2537			894	272	1023-1294
		3868	123	3868-3990			969	223	2918-3140
		3991	102	1235-1336			1023	218	4295-4512
		4400	18	1217-1234			1295	193	89-281
							1386	189	3531-3719
							1387	173	4647-88
Dpnl	24	588	1209	4110-587			2290	160	2758-2917



Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3822	33	3822-3854			2857	64	2756-2819
		3855	27	3229-3255			3123	41	901-941
		4200	18	4634-4651			3383	37	2820-2856
		4634	11	4652-4662			3559	31	2098-2128
		4652	9	2525-2533			3645	26	2028-2053
		4663	6	2519-2524			4048	22	2054-2075
Hgal	6	527	1587	527-2113			4157	13	2085-2097
GACGCNNNNN		2114	1352	2114-3465			4331	9	2076-2084
GCGTCNNNNNNNNNN		3466	671	4587-526			4431	8	2020-2027
		3545	578	4009-4586			4498	8	2748-2755
		4009	464	3545-4008	HincII	2	1372	4584	1519-1371
		4587	79	3466-3544	GTY RAC		1519	147	1372-1518
HhaI	24	598	829	4500-597	HindIII	1	1353	4731	1353-1352
GCG C		903	762	1260-2021	A AGCTT				
		944	619	2131-2749	HinI	12	411	1010	2231-3240
		1260	403	3647-4049	G ANTC		1335	924	411-1334
		2022	316	944-1259			1799	782	3522-4303
		2030	305	598-902			1821	464	1335-1798
		2056	266	2859-3124			2231	442	4700-410
		2078	260	3125-3384			3241	410	1821-2230
		2087	176	3385-3560			3375	396	4304-4699
		2100	174	4159-4332			3427	134	3241-3374
		2131	109	4050-4158			3485	58	3427-3484
		2750	100	4333-4432			3522	52	3375-3426
		2758	86	3561-3646			4304	37	3485-3521
		2822	67	4433-4499			4700	22	1799-1820
		2859	64	2758-2821	HpaI	1	1519	4731	1519-1518
		3125	41	903-943	GTT AAC				
		3385	37	2822-2858	HpaII	24	602	864	4469-601
		3561	31	2100-2130	C CGG		642	687	1974-2660
		3647	26	2030-2055			705	576	1398-1973
		4050	22	2056-2077			765	531	765-1295
		4159	13	2087-2099			1296	474	3632-4105
		4333	9	2078-2086			1332	275	3257-3531
		4433	8	2022-2029			1388	190	4106-4295
		4500	8	2750-2757			1398	181	3076-3256
HinP1I	24	596	829	4498-595			1974	147	4322-4468
G CGC		901	762	1258-2019			2661	131	2788-2918
		942	619	2129-2747			2738	92	3540-3631
		1258	403	3645-4047			2760	90	2919-3008
		2020	316	942-1257			2788	77	2661-2737
		2028	305	596-900			2919	67	3009-3075
		2054	266	2857-3122			3009	63	642-704
		2076	260	3123-3382			3076	60	705-764
		2085	176	3383-3558			3257	56	1332-1387
		2098	174	4157-4330			3532	40	602-641
		2129	109	4048-4156			3540	36	1296-1331
		2748	100	4331-4430			3632	28	2760-2787
		2756	86	3559-3644					
		2820	67	4431-4497					





		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			3357	12	2571-2582				2084	83	3116-3198
			3563	9	1475-1483				2323	79	2446-2524
			3610	8	2531-2538				2395	72	2323-2394
			3877	6	719-724				2446	60	705-764
			4247	6	2539-2544				2525	51	2395-2445
			4513	6	2525-2530				2531	44	778-821
			4571	3	2568-2570				2747	42	2040-2081
MscI	1	2838	4731	2838-2837				2831	39	245-283	
TGG CCA								2854	32	213-244	
MseI	15	8	1819	2080-3898				2993	30	1983-2012	
T TAA								2999	27	2013-2039	
		1457	1449	8-1456				3116	24	377-400	
		1518	769	3970-7				3199	23	2831-2853	
		1639	271	1809-2079				3466	13	765-777	
		1660	121	1518-1638				3653	9	822-830	
		1671	98	1711-1808				3857	6	2525-2530	
		1683	61	1457-1517				4056	6	2993-2998	
		1694	52	3918-3969				4628	2	2082-2083	
		1711	21	1639-1659			NaeI	3	1975	3165	3541-1974
		1809	17	1694-1710			GCC GGC		3258	1283	1975-3257
		2080	14	3899-3912					3541	283	3258-3540
		3899	12	1671-1682			NarI	1	2756	4731	2756-2755
		3913	11	1660-1670			GG GCC				
		3918	11	1683-1693							
		3970	5	3913-3917			NciI	8	643	1371	1389-2759
MsiI	7	366	2093	1100-3192			CC SGG		1297	1077	4297-642
CAYNN NNRTG									1388	764	3533-4296
		614	1904	3193-365					1389	654	643-1296
		644	248	366-613					2760	613	2920-3532
		794	177	794-970					2920	160	2760-2919
		971	150	644-793					3533	91	1297-1387
		1100	129	971-1099					4297	1	1388-1388
		3193	30	614-643			NcoI	4	361	1904	3188-360
MunI	1	1506	4731	1506-1505			C CATGG		612	1873	612-2484
C AATTG									2485	703	2485-3187
MwoI	33	91	1152	831-1982					3188	251	361-611
GCNNNNN NNGC							NdeI	1	235	4731	235-234
		213	572	4056-4627			CA TATG				
		245	304	401-704			NgoMI	3	1973	3165	3539-1972
		284	267	3199-3465			G CCGGC		3256	1283	1973-3255
		377	239	2084-2322					3539	283	3256-3538
		401	216	2531-2746			NheI	1	592	4731	592-591
		705	204	3653-3856			G CTAGC				
		765	199	3857-4055							
		778	194	4628-90			NlaIII	21	305	871	1315-2185
		822	187	3466-3652			CATG		365	720	3958-4677
		831	139	2854-2992					616	384	3574-3957
		1983	122	91-212							
		2013	117	2999-3115							
		2040	93	284-376							
		2082	84	2747-2830							

		<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>					<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>			
		Number	Position	Length	Ends					Number	Position	Length	Ends			
			850	356	3218-3573											
			880	345	2630-2974					PleI	7	420	1197	2239-3435		
			1075	307	4729-304					GAGTCNNNN		1344	924	420-1343		
			1270	251	365-615					GACTCNNNN		1807	877	3436-4312		
			1315	234	616-849							1830	838	4313-419		
			2186	195	880-1074							2239	463	1344-1806		
			2326	195	1075-1269							3436	409	1830-2238		
			2398	186	2975-3160							4313	23	1807-1829		
			2489	141	2489-2629											
			2630	140	2186-2325					Ppu10I	3	2324	2331	2396-4726		
			2975	91	2398-2488					A TGCAT		2396	2328	4727-2323		
			3161	72	2326-2397							4727	72	2324-2395		
			3192	60	305-364											
			3218	51	4678-4728					PstI	1	1369	4731	1369-1368		
			3574	45	1270-1314					CTGCA G						
			3958	31	3161-3191											
			4678	30	850-879					PvuII	2	2254	4123	2862-2253		
			4729	26	3192-3217					CAG CTG		2862	608	2254-2861		
NlaIV		19	468	848	2792-3639					RsaI	10	220	1889	3062-219		
GGN NCC			651	843	3764-4606					GT AC		245	1684	1378-3061		
			1189	553	4646-467							300	502	541-1042		
			1378	538	651-1188							333	282	1043-1324		
			1386	518	1393-1910							384	157	384-540		
			1393	389	2368-2756							541	55	245-299		
			1911	191	1944-2134							1043	53	1325-1377		
			1932	189	1189-1377							1325	51	333-383		
			1944	183	468-650							1378	33	300-332		
			2135	161	2135-2295							3062	25	220-244		
			2296	79	3640-3718											
			2368	72	2296-2367					RsrII	1	3272	4731	3272-3271		
			2757	45	3719-3763					CG GWCCG						
			2792	39	4607-4645											
			3640	35	2757-2791					SacI	1	1351	4731	1351-1350		
			3719	21	1911-1931					GAGCT C						
			3764	12	1932-1943											
			4607	8	1378-1385					SacII	1	1383	4731	1383-1382		
			4646	7	1386-1392					CCG GG						
NsiI		3	2328	2331	2400-4730					Sall	1	1370	4731	1370-1369		
ATGCA T			2400	2328	4731-2327					G TCGAC						
			4731	72	2328-2399											
NspBII		5	1382	1777	4336-1381					SapI	2	3115	4521	3325-3114		
CMG CKG			2254	1229	2862-4090					GCTCTTCN		3325	210	3115-3324		
			2862	872	1382-2253					GAAGAGCNNNN						
			4091	608	2254-2861											
			4336	245	4091-4335											
NspI		4	2326	2379	4678-2325					Sau3AI	24	586	1209	4108-585		
RCATG Y			2398	1517	3161-4677					GATC		1113	1180	1413-2592		
			3161	763	2398-3160							1261	527	586-1112		
			4678	72	2326-2397							1299	376	3173-3548		
												1340	359	3565-3923		
												1391	311	2616-2926		
												1400	148	1113-1260		

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
			1413	81	3005-3085				4515	16	643-658	
			2593	78	2927-3004				4528	13	4515-4527	
			2597	78	3095-3172				4649	1	1388-1388	
			2616	78	3936-4013							
			2927	75	4033-4107			SexAI	1	2345	4731	2345-2344
			3005	51	1340-1390			A CCWGGT				
			3086	41	1299-1339			SfaNI	15	381	1206	3394-4599
			3095	38	1261-1298			GCATCNNNNN	735	763	1572-2334	
			3173	19	2597-2615			GATGCNNNNNNNNN ...	990	512	4600-380	
			3549	16	3549-3564				1005	468	1104-1571	
			3565	13	1400-1412				1104	354	381-734	
			3924	12	3924-3935				1572	330	2407-2736	
			3936	11	4022-4032				2335	255	2737-2991	
			4014	9	1391-1399				2407	255	735-989	
			4022	9	3086-3094				2737	186	3208-3393	
			4033	8	4014-4021				2992	99	1005-1103	
			4108	4	2593-2596				3055	89	3119-3207	
									3119	72	2335-2406	
Sau96I	13	84	1409	1863-3271				3208	64	3055-3118		
G GNCC		277	961	3854-83				3394	63	2992-3054		
		786	509	277-785				4600	15	990-1004		
		1187	478	1385-1862			SfcI	4	1365	2127	2091-4217	
		1270	445	3272-3716			C TRYAG		2091	1687	4409-1364	
		1384	401	786-1186					4218	726	1365-2090	
		1385	193	84-276					4409	191	4218-4408	
		1863	114	1270-1383			SfiI	1	2531	4731	2531-2530	
		3272	83	1187-1269			GGCCNNNN NGGCC					
		3717	58	3763-3820			Smal	1	1389	4731	1389-1388	
		3763	46	3717-3762			CCC GGG					
		3821	33	3821-3853			SnaBI	1	341	4731	341-340	
		3854	1	1384-1384			TAC GTA					
ScrFI	24	91	903	1389-2291			SphI	3	2326	3896	3161-2325	
CC NGG		284	472	3825-4296			GCATG C		2398	763	2398-3160	
		643	396	2364-2759					3161	72	2326-2397	
		659	390	3143-3532			Sspl	2	1664	4178	2217-1663	
		784	359	284-642			AAT ATT		2217	553	1664-2216	
		896	272	1025-1296			StuI	1	2577	4731	2577-2576	
		971	223	2920-3142			AGG CCT					
		1025	218	4297-4514			StyI	6	361	1873	612-2484	
		1297	193	91-283			C CWGG		612	1499	3593-360	
		1388	189	3533-3721					2485	610	2578-3187	
		1389	173	4649-90					2578	405	3188-3592	
		2292	160	2760-2919					3188	251	361-611	
		2347	125	659-783					3593	93	2485-2577	
		2364	121	4528-4648								
		2760	112	784-895								
		2920	103	3722-3824								
		3143	91	1297-1387								
		3533	75	896-970								
		3722	55	2292-2346								
		3825	54	971-1024								
		4297	17	2347-2363								



The following restriction enzymes do not cut pEGFP-C1:

AflIII, AscI, BbsI, BsiWI, BssHII, Bst1107I, BstEII, BstXI, Eam1105I,  
EcoNI,

EcoRV, Esp3I, EspI, FseI, NotI, NruI, PacI, PflMI, PmeI, PmlI,

PpuMI, PshAI, Psp1406I, PvuI, ScaI, SgfI, SgrAI, SpeI, SrfI, Sse8387I,

SwaI, XcmI, XmnI.