

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
AatII GACGT C	1	1424	3355	1424-1423	Afl III A CRYGT	1	3231	3355	3231-3230
AccI GT MKAC	1	254	3355	254-253	AgeI A CCGGT	1	277	3355	277-276
Acil C CGC G CGG	44	19	362	2277-2638	AhdI GACNNN NNGTC	1	2343	3355	2343-2342
		29	320	188-507	AluI AG CT	23	56	810	1180-1989
		85	191	1995-2185			120	521	2153-2673
		188	177	1015-1191			215	257	2674-2930
		508	138	655-792			237	226	3067-3292
		549	135	2648-2782			310	216	448-663
		616	127	3033-3159			343	164	997-1160
		655	121	2893-3013			415	118	3293-55
		793	121	1828-1948			448	111	712-822
		906	113	793-905			664	100	897-996
		966	110	2783-2892			712	100	2053-2152
		969	109	1598-1706			823	95	120-214
		1011	103	85-187			897	90	2977-3066
		1015	99	1353-1451			997	74	823-896
		1192	99	1499-1597			1161	73	237-309
		1231	91	2186-2276			1180	72	343-414
		1241	91	3188-3278			1990	64	56-119
		1267	77	1707-1783			2053	63	1990-2052
		1305	67	549-615			2153	48	664-711
		1318	60	906-965			2674	46	2931-2976
		1344	56	29-84			2931	33	415-447
		1353	47	1452-1498			2977	33	310-342
		1452	46	1949-1994			3067	22	215-236
		1499	44	1784-1827			3293	19	1161-1179
		1598	43	3307-3349	Alw26 I GTCTCN   NNNNNGAGAC	4	1120	2198	2277-1119
		1707	42	969-1010			1162	776	1501-2276
		1784	41	508-548			1501	339	1162-1500
		1828	39	616-654			2277	42	1120-1161
		1949	39	1192-1230	AlwI GGATCNNNN   NNNNNGATCC	12	260	942	2673-259
		1995	38	1267-1304			273	721	983-1703
		2186	28	3160-3187			784	511	273-783
		2277	26	1318-1343			983	463	2025-2487
		2639	26	1241-1266			1704	317	1708-2024
		2648	24	3350-18			1708	199	784-982
		2783	21	3279-3299			2025	96	2489-2584
		2893	19	3014-3032			2488	86	2587-2672
		3014	13	1305-1317			2489	13	260-272
		3033	10	19-28			2585	4	1704-1707
		3160	10	1231-1240			2587	2	2585-2586
		3188	9	2639-2647			2673	1	2488-2488
		3279	9	1344-1352	AlwNI	1	2822	3355	2822-2821
		3300	7	3300-3306					
		3307	4	1011-1014					
		3350	3	966-968					
Afl II C TTAAG	1	1358	3355	1358-1357					

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
CAGNNN CTG									
Apal GGGCC C	1	1109	3355	1109-1108	Bcgl GCANNNNNTCGNNNN.839  NNNNNNNNNNCGANN...	2	380	1896	1839-379 1459 380-1838
ApaLI G TGCAC	3	1294 1671 2917	1732 1246 377	2917-1293 1671-2916 1294-1670	Bcgl CGANNNNNTGCGNNNN.805  NNNNNNNNNNNGCANN...	2	414	1964	1805-413 1391 414-1804
Apol R AATTY	1	1026	3355	1026-1025	Bfal C TAG	6	260	1059	1091-2149 1023 877 2738-259
Asel AT TAAT	3	48 107 2168	2061 1235 59	107-2167 2168-47 48-106			1091 2150 2485 2738	763 335 253 68	260-1022 2150-2484 2485-2737 1023-1090
Asp718 I G GTACC	1	274	3355	274-273	Bgl I GCCNNNN NGGC	3	1104	2234	2225-1103 1362 863 1362-2224 2225 258 1104-1361
Aval C YCGRG	1	270	3355	270-269	Bpml CTGGAGNNNNNNNNNN.974  NNNNNNNNNNNNNC.2274	3	734	1815	2274-733 1300 974-2273 240 734-973
Avall G GWCC	3	946 1979 2201	2100 1033 222	2201-945 946-1978 1979-2200	BsaHI GR CGYC	2	1421	2973	1803-1420 1803 382 1421-1802
BamHI G GATCC	1	265	3355	265-264	Bsal GGTCTCN   NNNNNGAGACC	1	2277	3355	2277-2276
BanI G GYRCC	4	132 274 325 2390	2065 1097 142 51	325-2389 2390-131 132-273 274-324	BsaJI C CNGG	10	137	2371	700-3070 269 421 3071-136 270 163 458-620 288 140 318-457 318 132 137-268 458 55 645-699 621 30 288-317 645 24 621-644 700 18 270-287 3071 1 269-269
BanII GRGCY C	1	1109	3355	1109-1108	BsaWI W CCGGW	4	277	1770	277-2046 2047 831 2047-2877 2878 607 3025-276 3025 147 2878-3024
Bbvl GCAGCNNNNNNN   NNNNNNNNNNNGCT...541	16	65 435 541 825 832 858 861 1170 1909 2300 2603 2809 2812 2902 3321 3339	739 419 391 370 309 303 284 206 106 90 81 26 18 7 3 3	1170-1908 2902-3320 1909-2299 65-434 861-1169 2300-2602 541-824 2603-2808 435-540 2812-2901 3339-64 832-857 3321-3338 825-831 858-860 2809-2811	Bsc4 I CCNNNN NNNGG	10	34	1583	1169-2751 276 350 621-970 458 279 2752-3030 621 242 34-275 971 198 971-1168 1169 182 276-457



		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			1198	75	570-644			Cac8 I	17	58	975 1255-2229
			1805	54	645-698			GCN NGC		87	560 2621-3180
			2156	47	270-316					239	430 825-1254
			2852	35	1163-1197					243	391 2230-2620
			3070	16	317-332					247	310 508-817
			3083	13	3070-3082					413	166 247-412
			3204	1	269-269					446	152 87-238
										494	109 3304-57
BssSI	4	470	1384	1674-3057					508	86 3218-3303	
C ACGAG		1367	897	470-1366					818	48 446-493	
C TCGTG		1674	767	3058-469					825	37 3181-3217	
		3058	307	1367-1673					1255	33 413-445	
									2230	29 58-86	
BstF5 I	6	330	1320	2365-329					2621	14 494-507	
GGATGNN		696	697	1200-1896					3181	7 818-824	
CATCC		1200	504	696-1199					3218	4 239-242	
		1897	366	330-695					3304	4 243-246	
		2184	287	1897-2183							
		2365	181	2184-2364			Csp6 I	6	275	1769 1861-274	
							G TAC		718	576 1285-1860	
BstNI	9	139	2371	701-3071					1000	443 275-717	
CC WGG		335	288	3206-138					1101	282 718-999	
		460	196	139-334					1285	184 1101-1284	
		572	125	335-459					1861	101 1000-1100	
		647	121	3085-3205							
		701	112	460-571			CviJ I	62	39	587 1365-1951	
		3072	75	572-646			RG CY		56	363 2311-2673	
		3085	54	647-700					120	100 897-996	
		3206	13	3072-3084					142	100 564-663	
									163	99 1257-1355	
BstUI	13	31	585	33-617					215	98 3067-3164	
CG CG		33	581	2607-3187					237	90 2977-3066	
		618	493	1784-2276					310	90 2063-2152	
		936	332	1452-1783					343	82 3312-38	
		1017	330	2277-2606					363	79 2822-2900	
		1120	318	618-935					415	73 3220-3292	
		1122	227	1225-1451					448	73 237-309	
		1225	198	3188-30					463	72 492-563	
		1452	103	1017-1119					486	72 1014-1085	
		1784	103	1122-1224					492	71 752-822	
		2277	81	936-1016					564	66 2153-2218	
		2607	2	31-32					664	65 2757-2821	
		3188	2	1120-1121					712	64 56-119	
									732	63 1990-2052	
BstYI	8	265	1030	2590-264					752	54 1107-1160	
R GATCY		789	907	789-1695					823	52 363-414	
		1696	768	1713-2480					864	52 163-214	
		1713	524	265-788					897	48 664-711	
		2481	86	2493-2578					997	46 2931-2976	
		2493	17	1696-1712					1014	43 2703-2745	
		2579	12	2481-2492					1086	41 2258-2298	
		2590	11	2579-2589					1098	41 823-863	
									1107	40 1213-1252	



		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
		3204		13	3070-3082			463	434	2757-3190	
FauI	6	36	2157	1234-35			492	324	39-362		
CCC GCNNNN		78	601	623-1223			752	267	1952-2218		
NNNNNNNGCGGG		515	437	78-514			864	260	492-751		
		623	108	515-622			1014	249	1107-1355		
		1224	42	36-77			1086	174	3220-38		
		1234	10	1224-1233			1098	150	864-1013		
Fnu4HI	27	54	395	54-448			1107	112	752-863		
GC NGC		449	339	1950-2288			1356	100	363-462		
		530	328	2289-2616			1365	80	2219-2298		
		814	284	530-813			1952	72	1014-1085		
		821	245	1354-1598			2219	29	463-491		
		872	229	1599-1827			2299	18	3191-3208		
		875	206	2617-2822			2757	12	1086-1097		
		969	155	3034-3188			3191	11	3209-3219		
		1012	144	1015-1158			3209	9	1356-1364		
		1015	143	2891-3033			3220	9	1098-1106		
		1159	118	3189-3306			HgaI	4	1214	1450	3119-1213
		1268	109	1159-1267			GAC GCNNNNN		1811	730	1811-2540
		1354	95	1828-1922			NNNNNNNNNNNGCGTC	2541	597	1214-1810	
		1599	94	875-968				3119	578	2541-3118	
		1828	86	1268-1353			HhaI	19	5	481	98-578
		1923	81	3328-53			GC GC		33	393	2214-2606
		1950	81	449-529					98	337	1784-2120
		2289	65	2826-2890					579	332	1452-1783
		2617	51	821-871					620	316	620-935
		2823	43	969-1011					936	270	3057-3326
		2826	27	1923-1949					1041	227	1225-1451
		2891	18	3310-3327					1122	174	2716-2889
		3034	7	814-820					1225	109	2607-2715
		3189	3	3307-3309					1452	105	936-1040
		3307	3	2823-2825					1784	103	1122-1224
		3310	3	872-874					2121	100	2890-2989
		3328	3	1012-1014					2214	93	2121-2213
FokI	6	317	1300	2372-316					2607	81	1041-1121
GGATGNNNNNNNNN ...		683	697	1207-1903					2716	67	2990-3056
NNNNNNNNNNNNNCA	1.207	524	683	683-1206					2890	65	33-97
		1904	366	317-682					2990	41	579-619
		2191	287	1904-2190					3057	33	3327-4
		2372	181	2191-2371					3327	28	5-32
FspI	1	2120	3355	2120-2119			HinP1 I	19	3	481	96-576
TGC GCA							GC GC		31	393	2212-2604
HaeII	3	6	1949	1042-2990					96	337	1782-2118
RGCGC Y		1042	1036	6-1041					577	332	1450-1781
		2991	370	2991-5					618	316	618-933
HaeIII	19	39	587	1365-1951					934	270	3055-3324
GG CC		363	458	2299-2756					1039	227	1223-1449
									1120	174	2714-2887
									1223	109	2605-2713
									1450	105	934-1038

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
			1782	103	1120-1222				1857	24	637-660	
			2119	100	2888-2987				2273	9	1141-1149	
			2212	93	2119-2211				2500	3	304-306	
			2605	81	1039-1119							
			2714	67	2988-3054			KpnI	1	278	3355	278-277
			2888	65	31-95			GGTAC C				
			2988	41	577-617							
			3055	33	3325-2			MaeII	7	354	1179	2530-353
			3325	28	3-30			A CGT				
										567	683	738-1420
										738	416	2114-2529
HincII	1	255	3355	255-254					1421	373	1741-2113	
										1741	320	1421-1740
										2114	213	354-566
										2530	171	567-737
HindIII	1	235	3355	235-234								
								MaeIII	11	472	953	2874-471
								GTNAC				
										961	509	1173-1681
HinfI	7	42	1325	1019-2343					1173	489	472-960	
										1682	331	2081-2411
										1870	283	2412-2694
										2023	212	961-1172
										2081	188	1682-1869
										2412	153	1870-2022
										2695	116	2695-2810
										2811	63	2811-2873
										2874	58	2023-2080
HpaII	19	160	607	1199-1805								
								MboII	10	10	791	2574-9
								GAAGANNNNNNNN				
								NNNNNNNTCTTC				
										532	786	775-1560
										577	755	1748-2502
										580	522	10-531
										775	195	580-774
										1561	109	1561-1669
										1670	78	1670-1747
										1748	71	2503-2573
										2503	45	532-576
										2574	3	577-579
								Mnl I	20	32	594	1376-1969
								CCTCNNNNNNN				
								NNNNNNNGAGG				
										256	400	2404-2803
										298	357	799-1155
										379	250	2804-3053
										385	224	32-255
										479	220	1156-1375
										616	209	3128-3336
										628	206	1970-2175
										679	147	2176-2322
										799	137	479-615
										1156	120	679-798
										1376	94	385-478
										1970	81	298-378
										2176	81	2323-2403
										2323	74	3054-3127
HphI	12	304	1159	2500-303								
								GGTGANNNNNNNN				
								NNNNNNNTCACC				
										637	416	1857-2272
										661	351	790-1140
										790	330	307-636
										1141	227	2273-2499
										1150	206	1651-1856
										1616	129	661-789
										1651	35	1616-1650

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			2404	51	628-678			NciI	9	271	772 2854-270
			2804	50	3337-31			CC SGG		272	696 2158-2853
			3054	42	256-297					319	654 319-972
			3128	12	616-627					973	607 1200-1806
			3337	6	379-384					1165	351 1807-2157
										1200	192 973-1164
MseI	13	48	1152	107-1258					1807	47	272-318
T TAA			107	876 2527-47					2158	35	1165-1199
			1259	372 1392-1763					2854	1	271-271
			1359	365 1764-2128			NcoI	1	288	3355	288-287
			1392	235 2168-2402			C CATGG				
			1764	100 1259-1358							
			2129	59 48-106			NdeI	1	1301	3355	1301-1300
			2168	53 2403-2455			CA TATG				
			2403	52 2475-2526							
			2456	39 2129-2167			NlaIII	17	226	720	2515-3234
			2470	33 1359-1391			CATG		245	491	2024-2514
			2475	14 2456-2469					292	393	1507-1899
			2527	5 2470-2474					526	346	3235-225
									556	244	1158-1401
Msl I	8	290	1555	2090-289					751	234	292-525
CAYNN NNRTG			320	796 776-1571					946	195	556-750
			470	359 1572-1930					991	195	751-945
			647	177 470-646					1158	167	991-1157
			776	159 1931-2089					1402	105	1402-1506
			1572	150 320-469					1507	78	1936-2013
			1931	129 647-775					1900	47	245-291
			2090	30 290-319					1936	45	946-990
									2014	36	1900-1935
MspA1 I	5	56	1175	56-1230					2024	30	526-555
CMG CKG			1231	941 1707-2647					2515	19	226-244
			1707	518 2893-55					3235	10	2014-2023
			2648	476 1231-1706							
			2893	245 2648-2892							
							NlaIV	13	134	772	2392-3163
MwoI	17	11	863	1362-2224			GGN NCC		267	590	1456-2045
GCNNNNN NNGC			95	572 2613-3184					276	538	327-864
			139	538 507-1044					327	349	1107-1455
			238	388 2225-2612					865	286	3203-133
			381	198 1104-1301					1107	242	865-1106
			441	143 238-380					1456	211	2046-2256
			454	114 3185-3298					2046	133	134-266
			498	99 139-237					2257	94	2298-2391
			507	84 11-94					2298	51	276-326
			1045	67 3299-10					2392	41	2257-2297
			1104	60 1302-1361					3164	39	3164-3202
			1302	60 381-440					3203	9	267-275
			1362	59 1045-1103							
			2225	44 454-497			NotI	1	1012	3355	1012-1011
			2613	44 95-138			GC GCCGC				
			3185	13 441-453							
			3299	9 498-506			NspI	3	245	2077	1158-3234
							RCATG Y		1158	913	245-1157



Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3235	365	3235-244					
PleI	5	250	1339	1013-2351	G GNCC		863	616	1363-1978
GAGTCNNNN		1013	763	250-1012			946	401	462-862
NNNNNGACTC		2352	503	2352-2854			1105	257	1106-1362
		2855	485	2855-3339			1106	222	1979-2200
		3340	265	3340-249			1363	159	946-1104
Psp1406 I	2	1741	2982	2114-1740			1979	83	863-945
AA CGTT		2114	373	1741-2113			2201	79	2218-2296
PstI	2	251	3108	498-250			2218	17	2201-2217
CTGCA G		498	247	251-497			2297	1	1105-1105
PvuI	1	1974	3355	1974-1973	Scal	1	1862	3355	1862-1861
CGAT CG					AGT ACT				
PvuII	1	56	3355	56-55	ScrFI	18	139	696	2158-2853
CAG CTG					CC NGG		271	607	1200-1806
RsaI	6	276	1769	1862-275			272	351	1807-2157
GT AC		719	576	1286-1861			319	288	3206-138
		1001	443	276-718			335	272	701-972
		1102	282	719-1000			460	218	2854-3071
		1286	184	1102-1285			572	192	973-1164
		1862	101	1001-1101			647	132	139-270
Sal I	1	253	3355	253-252			701	125	335-459
G TCGAC							973	121	3085-3205
SapI	1	3348	3355	3348-3347			1165	112	460-571
GCTCTTCN							1200	75	572-646
NNNNGAAGAGC							1807	54	647-700
Sau3AI	17	265	955	2665-264			2158	47	272-318
GATC		789	685	975-1659			2854	35	1165-1199
		937	524	265-788			3072	16	319-334
		975	341	2035-2375			3085	13	3072-3084
		1660	258	1713-1970			3206	1	271-271
		1696	148	789-936	SfaNI	12	388	1052	2082-3133
		1713	105	2376-2480	GCATCNNNNN		666	609	3134-387
		1971	78	2493-2570	NNNNNNNNNGATGC ...		681	405	780-1184
		2017	75	2590-2664			780	287	1355-1641
		2035	46	1971-2016			1185	278	388-665
		2376	38	937-974			1279	249	1642-1890
		2481	36	1660-1695			1315	191	1891-2081
		2493	18	2017-2034			1355	99	681-779
		2571	17	1696-1712			1642	94	1185-1278
		2579	12	2481-2492			1891	40	1315-1354
		2590	11	2579-2589			2082	36	1279-1314
		2665	8	2571-2578			3134	15	666-680
Sau96 I	10	462	1520	2297-461	SfcI	5	247	1603	494-2096
					C TRYAG		494	678	2097-2774
							2097	636	2966-246
							2775	247	247-493
							2966	191	2775-2965
					SfiI	2	1104	3097	1362-1103
					GGCCNNNN NGGCC		1362	258	1104-1361

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>					
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends				
SmaI CCC GGG	1	272	3355	272-271			2822	51	820-870				
							2825	18	3309-3326				
SpeI A CTAGT	1	1090	3355	1090-1089			2890	7	813-819				
							3309	3	871-873				
SphI GCATG C	1	245	3355	245-244			3327	3	2822-2824				
Sse8387 I CCTGCA GG	1	251	3355	251-250			Tsp45 I	5	472	1746	2081-471		
							GTSAC		961	697	1173-1869		
SspI AAT ATT	1	1538	3355	1538-1537					1173	489	472-960		
									1870	212	961-1172		
StuI AGG CCT	1	1086	3355	1086-1085					2081	211	1870-2080		
StyI C CWWGG	1	288	3355	288-287			Tsp509 I	7	104	988	2471-103		
							AATT		179	884	1026-1909		
Tail ACGT	7	357	1179	2533-356					196	830	196-1025		
		570	683	741-1423					1026	306	2165-2470		
		741	416	2117-2532					1910	255	1910-2164		
		1424	373	1744-2116					2165	75	104-178		
		1744	320	1424-1743					2471	17	179-195		
		2117	213	357-569									
		2533	171	570-740									
TaqI T CGA	8	254	1444	1689-3132			TspRI	10	96	1421	503-1923		
		339	885	804-1688			CAGTGNN		503	506	2836-3341		
		633	476	3133-253			CACTGNN		1924	407	96-502		
		660	294	339-632					1951	347	1951-2297		
		675	129	675-803					2298	271	2552-2822		
		804	85	254-338					2403	149	2403-2551		
		1689	27	633-659					2552	109	3342-95		
3133	15	660-674			2823	105	2298-2402						
TfiI G AWTC	2	42	3215	42-3256					2836	27	1924-1950		
		3257	140	3257-41					3342	13	2823-2835		
TseI G CWGC	16	53	764	1158-1921			XbaI	2	259	2592	1022-258		
		448	419	2890-3308			T CTAGA		1022	763	259-1021		
		529	395	53-447									
		813	366	1922-2287					XmaI	1	270	3355	270-269
		820	328	2288-2615					C CCGGG				
		871	284	874-1157									
		874	284	529-812					Xmnl	1	1743	3355	1743-1742
		1158	206	2616-2821					GAANN NN TTC				
		1922	81	448-528									
		2288	81	3327-52									
2616	65	2825-2889											

The following restriction enzymes do not cut pEYFP:

AscI, AvrII, BbeI, BbsI, Bcl I, Bgl II, BlpI, BsaAI, BsaBI, BsmFI,

BsmI, BspEI, BssHII, Bst1107 I, BstBI, BstEII, BstXI, Bsu36 I, ClaI,  
DraIII,

Ecl136 II, Eco47 III, EcoNI, EcoRV, EheI, FseI, HpaI, KasI, MfeI,  
MluI,

MscI, NaeI, NarI, NgoMI, NheI, NruI, NsiI, PacI, PflMI, PmeI,

Pml I, Ppu10 I, PpuMI, PshAI, RsrII, SacI, SacII, SexAI, SgfI, SgrAI,

SnaBI, SrfI, SwaI, Tth111 I, XcmI, XhoI.