

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
AatII GACGT C	4	126	4437	448-125					
		179	186	262-447		3353	21	508-528	
		262	83	179-261		3369	19	4485-4503	
		448	53	126-178		3395	16	3353-3368	
AclI C CGC G CGG	68	59	613	1431-2043		3451	14	99-112	
		87	263	661-923		3520	14	2102-2115	
		99	240	3018-3257		3523	13	648-660	
		113	234	3876-4109		3589	12	2475-2486	
		280	185	2269-2453		3671	12	2454-2465	
		371	167	113-279		3736	12	87-98	
		404	139	2554-2692		3803	11	613-623	
		508	138	1071-1208		3876	11	2497-2507	
		529	135	4119-4253		4110	10	2487-2496	
		590	127	4504-4630		4119	9	4110-4118	
		613	121	4364-4484		4254	9	2466-2474	
		624	113	1209-1321		4364	5	3298-3302	
		648	110	4254-4363		4485	4	1427-1430	
		661	104	404-507		4504	3	3015-3017	
		924	101	2914-3014		4631	3	3520-3522	
		965	94	2756-2849		4659	3	1382-1384	
		1032	91	4659-4749		4750	3	2099-2101	
		1071	91	280-370	Afl II	1	1666	4759	1666-1665
		1209	82	3589-3670	C TTAAG				
		1322	73	3803-3875	Afl III	1	4702	4759	4702-4701
		1382	69	3451-3519	A CRYGT				
		1385	68	4750-58	AgeI	1	693	4759	693-692
		1427	67	3736-3802	A CCGGT				
		1431	67	965-1031	AluI	21	567	797	3348-4144
		2044	66	3523-3588	AG CT		726	788	4538-566
		2071	65	3671-3735			759	458	2890-3347
		2099	64	2850-2913			831	320	2570-2889
		2102	63	2206-2268			864	295	1987-2281
		2116	63	2693-2755			1080	288	2282-2569
		2159	61	529-589			1128	257	1730-1986
		2206	60	1322-1381			1239	257	4145-4401
		2269	56	3395-3450			1313	216	864-1079
		2454	50	3303-3352			1413	167	1563-1729
	2466	47	2159-2205			1563	159	567-725	
	2475	46	2508-2553			1730	150	1413-1562	
	2487	43	2116-2158			1987	111	1128-1238	
	2497	42	1385-1426			2282	100	1313-1412	
	2508	41	924-964			2570	90	4448-4537	
	2554	40	3258-3297			2890	74	1239-1312	
	2693	39	1032-1070			3348	72	759-830	
	2756	33	371-403			4145	48	1080-1127	
	2850	28	4631-4658			4402	46	4402-4447	
	2914	28	59-86			4448	33	726-758	
	3015	28	2071-2098			4538	33	831-863	
	3018	27	2044-2070	Alw26 I	5	435	1773	435-2207	
	3258	26	3369-3394						
	3298	24	624-647						
	3303	23	590-612						

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
GTCTCN		2208	1421	3773-434	GRGCY C		3149	1174	1975-3148
NNNNNGAGAC		2626	1019	2626-3644			3859	710	3149-3858
		3645	418	2208-2625	BbeI	1	2787	4759	2787-2786
		3773	128	3645-3772	GGCGC C				
AlwI	17	581	1253	1399-2651	BbvI	22	602	988	4373-601
GGATCNNNN		666	1196	4144-580	GCAGCNNNNNNNN		605	665	2066-2730
NNNNNGATCC		682	505	695-1199	NNNNNNNNNNNGCT...		608	494	1572-2065
		695	363	3209-3571			851	453	3420-3872
		1200	358	3601-3958			957	412	3008-3419
		1399	311	2652-2962			1241	295	1277-1571
		2652	199	1200-1398			1248	284	957-1240
		2963	181	3028-3208			1274	243	608-850
		3028	96	3960-4055			1277	206	4074-4279
		3209	86	4058-4143			1572	201	3873-4073
		3572	85	581-665			2066	126	2731-2856
		3601	65	2963-3027			2731	106	851-956
		3959	29	3572-3600			2857	93	2915-3007
		3960	16	666-681			2899	90	4283-4372
		4056	13	682-694			2915	42	2857-2898
		4058	2	4056-4057			3008	26	1248-1273
		4144	1	3959-3959			3420	16	2899-2914
AlwNI	2	3885	4351	4293-3884			3873	7	1241-1247
CAGNNN CTG		4293	408	3885-4292			4074	3	4280-4282
ApaI	1	4388	4759	4388-4387			4280	3	602-604
G TGCAC							4283	3	605-607
							4373	3	1274-1276
ApoI	3	1598	4644	1713-1597	Bcgl	1	796	4759	796-795
R AATTY		1702	104	1598-1701	GCANNNNNNNTCGNNNN...				
		1713	11	1702-1712	NNNNNNNNNNCGANN...				
Asel	1	8	4759	8-7	Bcgl	1	830	4759	830-829
AT TAAT					CGANNNNNNNTGCNNNN...				
					NNNNNNNNNNNGCANN...				
Avall	3	1362	2376	3745-1361	Bfal	8	593	1143	4209-592
G WCC		3300	1938	1362-3299	C TAG		1439	1015	2607-3621
		3745	445	3300-3744			1633	846	593-1438
AvrII	2	2606	3744	3621-2605			2051	556	2051-2606
C CTAGG		3621	1015	2606-3620			2607	418	1633-2050
BamHI	1	687	4759	687-686			3622	334	3622-3955
G GATCC							3956	253	3956-4208
							4209	194	1439-1632
BanI	5	466	2407	2818-465	Bgl I	4	91	2291	2559-90
G GYRCC		741	1196	741-1936	GCCNNNN NGGC		213	2275	284-2558
		1937	846	1937-2782			284	122	91-212
		2783	275	466-740			2559	71	213-283
		2818	35	2783-2817	Bpml	4	1150	2285	3624-1149
BanII	3	1975	2875	3859-1974	CTGGAGNNNNNNNNNN.390		2177	1390	1390-3566

Sites					Fragments			Sites					Fragments				
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
NNNNNNNNNNNNNNNC		3567		240	1150-1389				874	408	1387-1794						
		3624		57	3567-3623				1037	392	2121-2512						
BsaAI	3	341	2012	3088-340				1387	353	3870-4222							
YAC GTR		1900	1559	341-1899				1795	350	1037-1386							
		3088	1188	1900-3087				2121	326	1795-2120							
BsaBI	2	1446	3562	2643-1445				2513	281	3308-3588							
GATNN NNATC		2643	1197	1446-2642				2764	279	4223-4501							
BsaHI	8	123	2174	610-2783				3308	251	2513-2763							
GR CGYC		176	1317	3565-122				3589	194	680-873							
		259	702	2784-3485				3621	166	4502-4667							
		445	186	259-444				3622	163	874-1036							
		610	165	445-609				3753	131	3622-3752							
		2784	83	176-258				3788	122	4686-48							
		3486	79	3486-3564				3838	50	3788-3837							
		3565	53	123-175				3839	35	3753-3787							
BsaI	1	3773	4759	3773-3772				3870	32	3589-3620							
GGTCTCN								4223	31	3839-3869							
NNNNNGAGACC								4502	18	4668-4685							
								4668	1	3621-3621							
								4686	1	3838-3838							
BsaJI	21	361	1202	1116-2317			BseRI	2	736	2893	2602-735						
C C NNGG		704	690	3852-4541			GAGGAGNNNNNNNNNN	602	1866	736-2601							
		734	578	4542-360			NNNNNNNNNCTCCTC ...										
		874	405	3216-3620			BsgI	2	834	4338	1255-833						
		1037	343	361-703			GTGCAGNNNNNNNNNN	255	421	834-1254							
		1061	341	2606-2946			NNNNNNNNNNNNNNNC...										
		1116	269	2947-3215			BsiEI	4	698	1675	2693-4367						
		2318	163	874-1036			CGRY CG		1431	1262	1431-2692						
		2390	140	734-873					2693	1089	4368-697						
		2513	127	3621-3747					4368	733	698-1430						
		2548	123	2390-2512			BsiHKAI	3	2897	3264	4392-2896						
		2557	102	3749-3850			GWGCW C		3087	1305	3087-4391						
		2606	72	2318-2389					4392	190	2897-3086						
		2947	55	1061-1115			BsII	22	50	631	50-680						
		3216	49	2557-2605			CCNNNNN NNGG		681	544	2765-3308						
		3621	35	2513-2547					875	408	1388-1795						
		3748	30	704-733					1038	392	2122-2513						
		3749	24	1037-1060					1388	353	3871-4223						
		3851	9	2548-2556					1796	350	1038-1387						
		3852	1	3748-3748					2122	326	1796-2121						
		4542	1	3851-3851					2514	281	3309-3589						
BsaWI	5	693	2122	693-2814					2765	279	4224-4502						
W CCGGW		2815	956	4496-692					3309	251	2514-2764						
		3659	844	2815-3658					3590	194	681-874						
		4349	690	3659-4348					3622	166	4503-4668						
		4496	147	4349-4495					3623	163	875-1037						
Bsc4 I	22	49	631	49-679					3754	131	3623-3753						
CCNNNN NNGG		680	544	2764-3307					3789	122	4687-49						

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3839	50	3789-3838					
		3840	35	3754-3788					
		3871	32	3590-3621					
		4224	31	3840-3870					
		4503	18	4669-4686					
		4669	1	3622-3622					
		4687	1	3839-3839					
BsmFI	10	176	1805	495-2299	BsrFI	6	693	1885	3567-692
GGGACNNNNNNNNNN ...327			1204	3731-175	R CCGGY		856	1145	856-2000
NNNNNNNNNNNNNNNG...495			532	2935-3466			2001	1102	2001-3102
		2300	499	2436-2934			3103	283	3284-3566
		2372	168	327-494			3284	181	3103-3283
		2436	155	3576-3730			3567	163	693-855
		2935	151	176-326					
		3467	109	3467-3575	BsrGI	1	1415	4759	1415-1414
		3576	72	2300-2371	T GTACA				
		3731	64	2372-2435					
BsmI	2	1535	4666	1628-1534	BsrI	10	296	1246	2929-4174
GAATGCN		1628	93	1535-1627	ACTGGN		655	755	4300-295
G CATTC					C CAGT		1317	678	1813-2490
							1813	662	655-1316
							2491	496	1317-1812
							2728	359	296-654
							2929	237	2491-2727
							4175	201	2728-2928
							4287	112	4175-4286
							4300	13	4287-4299
Bsp1286 I	11	746	1113	4392-745	BssHII	1	663	4759	663-662
GDGCH C		875	851	1124-1974	G CGCGC				
		1124	755	1975-2729					
		1975	710	3149-3858	BssKI	23	89	931	1387-2317
		2730	533	3859-4391	CCNGG		282	472	3851-4322
		2823	249	875-1123			643	396	2390-2785
		2897	190	2897-3086			733	390	3169-3558
		3087	129	746-874			749	361	282-642
		3149	93	2730-2822			874	272	1115-1386
		3859	74	2823-2896			986	223	2946-3168
		4392	62	3087-3148			1061	218	4323-4540
							1115	193	89-281
							1387	189	3559-3747
BspHI	2	2210	2987	3982-2209			2318	173	4675-88
T CATGA		3982	1772	2210-3981			2373	160	2786-2945
							2390	125	749-873
BspLU11 I	1	4702	4759	4702-4701			2786	121	4554-4674
A CATGT							2946	112	874-985
							3169	103	3748-3850
BspMI	3	2671	3928	3502-2670			3559	90	643-732
ACCTGCNNNN		3052	450	3052-3501			3748	75	986-1060
NNNNNNNNNGCAGGT ...3502			381	2671-3051			3851	55	2318-2372
							4323	54	1061-1114
							4541	17	2373-2389
BsrBI	4	2044	3352	3451-2043			4554	16	733-748
GAG CGG		2208	1189	2208-3396			4675	13	4541-4553
CCG CTC		3397	164	2044-2207					
		3451	54	3397-3450					
					BssSI	4	886	2490	886-3375
BsrDI	1	3017	4759	3017-3016	C ACGAG		3376	1116	4529-885
GCAATGNN					C TCGTG		3502	1027	3502-4528
CATTGC							4529	126	3376-3501

	Sites		Fragments			Sites		Fragments		
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
BstBI TT CGAA	1	3466	4759	3466-3465			2955	359	3593-3951	
							3201	246	2955-3200	
BstF5 I GGATGNN CATCC	7	746	1925	3580-745			3593	86	3964-4049	
		1112	1358	1112-2469			3952	85	586-670	
		2470	457	2644-3100			3964	16	671-686	
		2644	454	3126-3579			4050	12	3952-3963	
		3101	366	746-1111			4061	11	4050-4060	
		3126	174	2470-2643						
		3580	25	3101-3125						
BstNI CC WGG	16	91	1203	1117-2319						
		284	779	2392-3170						
BstUI CG CG	19	61	691	2159-2849						
		663	602	61-662						
		665	581	4078-4658						
		1034	438	3151-3588						
		1352	376	1708-2083						
		1433	369	665-1033						
		1708	318	1034-1351						
		2084	301	2850-3150						
		2104	275	1433-1707						
		2128	273	3805-4077						
		2159	161	4659-60						
		2850	84	3589-3672						
		3151	81	1352-1432						
		3589	69	3736-3804						
		3673	63	3673-3735						
3736	31	2128-2158								
3805	24	2104-2127								
4078	20	2084-2103								
4659	2	663-664								
BstYI R GATCY	11	586	1750	1205-2954						
		671	1284	4061-585						
Csp6 I G TAC	9	687	518	687-1204						
		1205	392	3201-3592						
Bsu36 I CC TNAGG	2	2264	3127	3896-2263						
		3896	1632	2264-3895						
Cac8 I GCN NGC	35	87	762	1241-2002						
		280	560	4092-4651						
		594	314	280-593						
		665	310	924-1233						
		829	283	3286-3568						
		862	273	2060-2332						
		910	254	2424-2677						
		924	219	2864-3082						
		1234	211	3881-4091						
		1241	193	87-279						
		2003	187	3569-3755						
		2046	186	2678-2863						
		2060	164	665-828						
		2333	157	4689-86						
		2352	71	594-664						
		2405	66	3083-3148						
		2424	56	3803-3858						
		2678	54	3232-3285						
		2864	53	2352-2404						
3083	48	862-909								
3149	47	3756-3802								
3155	43	2003-2045								
3183	41	3187-3227								
3187	37	4652-4688								
3228	33	829-861								
3232	28	3155-3182								
3286	22	3859-3880								
3569	19	2405-2423								
3756	19	2333-2351								
3803	14	2046-2059								
3859	14	910-923								
3881	7	1234-1240								
4092	6	3149-3154								
4652	4	3183-3186								
4689	4	3228-3231								
Clal AT CGAT	1	2624	4759	2624-2623						
Csp6 I G TAC	9	219	1889	3089-218						
		244	1673	1416-3088						
		299	594	540-1133						

Sites				Fragments			
Number		Position		Length		Ends	
	332	282	1134-1415				
	383	157	383-539				
	540	55	244-298				
	1134	51	332-382				
	1416	33	299-331				
	3089	25	219-243				
CviI	93	43	289	278-566			
RGICY		85	281	2001-2281			
		94	251	3894-4144			
		278	184	94-277			
		567	180	3364-3543			
		629	167	1563-1729			
		638	142	1750-1891			
		643	123	2395-2517			
		651	122	3632-3753			
		726	111	4691-42			
		759	110	1453-1562			
		779	100	1313-1412			
		831	100	980-1079			
		864	98	4538-4635			
		879	90	4448-4537			
		902	84	2769-2852			
		908	83	3174-3256			
		980	81	2611-2691			
		1080	81	1892-1972			
		1128	79	4293-4371			
		1148	76	2928-3003			
		1168	75	651-725			
		1239	72	2323-2394			
		1280	72	908-979			
		1313	71	1168-1238			
		1413	65	4228-4292			
		1430	63	3040-3102			
		1453	62	567-628			
		1563	61	3571-3631			
		1730	57	3793-3849			
		1750	52	779-830			
		1892	48	1080-1127			
		1973	46	4402-4447			
		1987	44	3103-3146			
		2001	43	4174-4216			
		2282	42	43-84			
		2323	41	1239-1279			
		2395	41	2282-2322			
		2518	39	3754-3792			
		2547	38	2890-2927			
		2553	37	3288-3324			
		2562	33	1280-1312			
		2570	33	831-863			
		2593	33	726-758			
		2605	29	4145-4173			
		2611	29	2518-2546			
		2692	27	2717-2743			
		2709	27	3544-3570			
		2717	27	3257-3283			
		2744	26	4636-4661			
		2769	25	4372-4396			
		2853	25	2744-2768			
		2862	24	2866-2889			
		2866	23	2570-2592			
		2890	23	879-901			
		2928	23	3325-3347			
		3004	23	1430-1452			
		3021	20	759-778			
		3040	20	1128-1147			
		3103	20	1730-1749			
		3147	20	1148-1167			
		3157	19	3864-3882			
		3174	19	3021-3039			
		3257	18	4662-4679			
		3284	17	2692-2708			
		3288	17	3004-3020			
		3325	17	3157-3173			
		3348	17	1413-1429			
		3364	16	3348-3363			
		3544	15	864-878			
		3571	14	1973-1986			
		3632	14	1987-2000			
		3754	12	2593-2604			
		3793	11	4217-4227			
		3850	11	3883-3893			
		3857	11	4680-4690			
		3864	10	3147-3156			
		3883	9	2553-2561			
		3894	9	629-637			
		4145	9	85-93			
		4174	9	2853-2861			
		4217	8	2709-2716			
		4228	8	643-650			
		4293	8	2562-2569			
		4372	7	3850-3856			
		4397	7	3857-3863			
		4402	6	2605-2610			
		4448	6	902-907			
		4538	6	2547-2552			
		4636	5	638-642			
		4662	5	4397-4401			
		4680	4	2862-2865			
		4691	4	3284-3287			
Ddel	8	1309	1640	4428-1308			
C TNAG		1327	937	1327-2263			
		2264	881	2566-3446			
		2566	449	3447-3895			
		3447	409	4019-4427			

Sites					Fragments					
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
		3896	302	2264-2565	CJGGCCG		2690	1262	1428-2689	
		4019	123	3896-4018	EarI	3	2251	3672	3338-2250	
		4428	18	1309-1326	CTCTTCN		3128	877	2251-3127	
DpnI GA TC	23	588	1209	4138-587	NNNNGAAGAG		3338	210	3128-3337	
		673	1180	1443-2622	Eco57 I	5	859	1828	1102-2929	
		689	518	689-1206	CTGAAGNNNNNNNNNN		1102	1458	4160-858	
		1207	376	3203-3578	NNNNNNNNNNNNNNNC		2930	798	3362-4159	
		1355	359	3595-3953				3362	432	2930-3361
		1393	311	2646-2956				4160	243	859-1101
		1443	148	1207-1354	EcoO109 I	1	3882	4759	3882-3881	
		2623	85	588-672	RG GNCCY					
		2627	81	3035-3115	EcoRII	16	89	1203	1115-2317	
		2646	78	3966-4043	CCWGG			282	779	2390-3168
		2957	78	3125-3202				749	690	3851-4540
		3035	78	2957-3034				874	579	3169-3747
		3116	75	4063-4137				986	467	282-748
		3125	50	1393-1442				1061	193	89-281
		3203	38	1355-1392				1115	173	4675-88
		3579	19	2627-2645				2318	125	749-873
		3595	16	673-688				2373	121	4554-4674
		3954	16	3579-3594				2390	112	874-985
		3966	12	3954-3965				3169	103	3748-3850
		4044	11	4052-4062				3748	75	986-1060
		4052	9	3116-3124				3851	55	2318-2372
		4063	8	4044-4051				4541	54	1061-1114
		4138	4	2623-2626				4554	17	2373-2389
						4675	13	4541-4553		
DraI TTT AAA	3	1486	2442	1486-3927	EheI	1	2785	4759	2785-2784	
		3928	2298	3947-1485	GGC GCC					
		3947	19	3928-3946	FauI	16	94	1043	3810-93	
DraIII CACNNN GTG	1	1900	4759	1900-1899	CCC GNNNN		120	998	1039-2036	
					NNNNNNGCGGG		287	537	2907-3443	
							617	425	2482-2906	
DrdI GACNNNN NNGTC	3	1855	2014	4600-1854			931	355	2106-2460	
		2811	1789	2811-4599			1039	330	287-616	
		4600	956	1855-2810			2037	314	617-930	
							2106	167	120-286	
DsaI C CRYGG	4	361	1904	3216-360			2461	138	3444-3581	
		704	1809	704-2512			2482	108	931-1038	
		2513	703	2513-3215			2907	96	3582-3677	
		3216	343	361-703			3444	81	3729-3809	
EaeI Y GGCCR	7	777	2254	3282-776			3582	69	2037-2105	
		1166	1262	1428-2689			3678	51	3678-3728	
		1428	391	2864-3254			3729	26	94-119	
		2690	389	777-1165			3810	21	2461-2481	
		2864	262	1166-1427						
		3255	174	2690-2863						
		3282	27	3255-3281						
EagI	2	1428	3497	2690-1427	Fnu4HI	43	613	712	4660-612	

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
GC NGC		616	519	1561-2079						
		619	438	2116-2553	HaeII RGCGC Y	4	2051	2348	4462-2050	
		622	339	3523-3861			2059	1675	2787-4461	
		649	284	946-1229			2787	728	2059-2786	
		661	236	3022-3257			4462	8	2051-2058	
		865	211	3877-4087						
		946	206	4088-4293	HaeIII GG CC	26	85	655	1892-2546	
		1230	204	661-864			278	509	3284-3792	
		1237	155	4505-4659			643	434	4228-4661	
		1288	143	4362-4504			779	391	2866-3256	
		1291	139	2554-2692			879	365	278-642	
		1385	130	1431-1560			908	345	3883-4227	
		1428	114	3409-3522			1168	320	1430-1749	
		1431	96	3258-3353			1280	260	908-1167	
		1561	94	1291-1384			1430	193	85-277	
		2080	90	2756-2845			1750	174	2692-2865	
		2102	87	2929-3015			1892	153	4691-84	
		2116	81	865-945			2547	150	1280-1429	
		2554	65	4297-4361			2553	142	1750-1891	
		2693	52	2693-2744			2562	136	643-778	
		2745	51	1237-1287			2605	112	1168-1279	
		2756	43	1385-1427			2692	100	779-878	
		2846	41	2888-2928			2866	87	2605-2691	
		2851	41	3354-3394			3257	57	3793-3849	
		2888	37	2851-2887			3284	43	2562-2604	
		2929	27	622-648			3793	33	3850-3882	
		3016	22	2080-2101			3850	29	879-907	
		3019	15	3862-3876			3883	27	3257-3283	
		3022	14	2102-2115			4228	18	4662-4679	
		3258	14	3395-3408			4662	11	4680-4690	
		3354	12	649-660			4680	9	2553-2561	
		3395	11	2745-2755			4691	6	2547-2552	
		3409	7	1230-1236						
		3523	5	2846-2850	HgaI GACGCN NNNN NNNNNNNNNNNGCGTC	7	527	1499	618-2116	
		3862	3	4294-4296			618	1377	2117-3493	
		3877	3	613-615			2117	696	4590-526	
		4088	3	619-621			3494	578	4012-4589	
		4294	3	1288-1290			3573	439	3573-4011	
		4297	3	616-618			4012	91	527-617	
		4362	3	3019-3021			4590	79	3494-3572	
		4505	3	3016-3018						
		4660	3	1428-1430						
	FokI GGATG NNNNNNNNNN ...	7	733	1905	3587-732	HhaI GCG C	25	665	896	4528-664
		1099	1358	1099	2456			667	698	1352-2049
		2457	457	2651	3107			995	619	2159-2777
		2651	454	3133	3586			1036	403	3675-4077
3108		366	733	1098			1352	328	667-994	
3133		194	2457	2650			2050	316	1036-1351	
3587		25	3108	3132			2058	266	2887-3152	
							2084	260	3153-3412	
FspI TGC GCA	1	2886	4759	2886-2885		2106	176	3413-3588		
						2115	174	4187-4360		
						2128	109	4078-4186		
						2159	100	4361-4460		

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		2778	86	3589-3674			4332	37	3513-3549
		2786	67	4461-4527			4728	22	1827-1848
		2850	64	2786-2849					
		2887	41	995-1035	HpaI	1	1547	4759	1547-1546
		3153	37	2850-2886	GTT AAC				
		3413	31	2128-2158					
		3589	26	2058-2083	HpaII	22	645	907	4497-644
		3675	22	2084-2105	C CGG		694	687	2002-2688
		4078	13	2115-2127			734	614	1388-2001
		4187	9	2106-2114			797	531	857-1387
		4361	8	2050-2057			857	474	3660-4133
		4461	8	2778-2785			1388	275	3285-3559
		4528	2	665-666			2002	190	4134-4323
							2689	181	3104-3284
HinP1 I	25	663	896	4526-662			2766	147	4350-4496
G CGC		665	698	1350-2047			2788	131	2816-2946
		993	619	2157-2775			2816	92	3568-3659
		1034	403	3673-4075			2947	90	2947-3036
		1350	328	665-992			3037	77	2689-2765
		2048	316	1034-1349			3104	67	3037-3103
		2056	266	2885-3150			3285	63	734-796
		2082	260	3151-3410			3560	60	797-856
		2104	176	3411-3586			3568	49	645-693
		2113	174	4185-4358			3660	40	694-733
		2126	109	4076-4184			4134	28	2788-2815
		2157	100	4359-4458			4324	26	4324-4349
		2776	86	3587-3672			4350	22	2766-2787
		2784	67	4459-4525			4497	8	3560-3567
		2848	64	2784-2847					
		2885	41	993-1033	HphI	10	377	1165	3971-376
		3151	37	2848-2884	GGTGANNNNNNN		720	1061	1901-2961
		3411	31	2126-2156	NNNNNNNTCACC		723	893	2962-3854
		3587	26	2056-2081			1053	695	1206-1900
		3673	22	2082-2103			1077	343	377-719
		4076	13	2113-2125			1206	330	723-1052
		4185	9	2104-2112			1901	129	1077-1205
		4359	8	2048-2055			2962	116	3855-3970
		4459	8	2776-2783			3855	24	1053-1076
		4526	2	663-664			3971	3	720-722
HinCI	1	1547	4759	1547-1546	KaI	1	2783	4759	2783-2782
GTY CAC					G CGCC				
HinFI	12	411	1024	411-1434	Maell	17	123	891	2009-2899
G ANTC		1435	1010	2259-3268	A CGT		135	881	4001-122
		1827	782	3550-4331			176	781	3087-3867
		1849	442	4728-410			259	690	1154-1843
		2259	410	1849-2258			340	325	445-769
		3269	396	4332-4727			445	213	770-982
		3403	392	1435-1826			770	187	2900-3086
		3455	134	3269-3402			983	171	983-1153
		3513	58	3455-3512			1154	133	3868-4000
		3550	52	3403-3454			1844	110	1899-2008

Sites					Fragments			Sites					Fragments					
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
			1856	105	340-444				2259	136	2699-2834				2537	120	1095-1214	
			1899	83	176-258				2543	94	801-894				2567	81	714-794	
			2009	81	259-339				2573	74	4525-4598				2580	64	2635-2698	
			2900	43	1856-1898				2583	51	1044-1094				2595	40	1463-1502	
			3087	41	135-175				2635	40	2595-2634				2699	31	3591-3621	
			3868	12	123-134				2835	24	2543-2566				3192	12	1032-1043	
			4001	12	1844-1855				3385	12	2583-2594				3591	9	1503-1511	
MaeIII GTNAC	14		62	819	2085-2903				3622	7	2573-2579				3905	6	2567-2572	
			149	690	3210-3899				3905	6	2567-2572				4275	6	2537-2542	
			498	501	1572-2072				4525	6	795-800				4599	3	2580-2582	
			888	489	888-1376													
			1377	476	4345-61													
			1572	390	498-887													
			2073	349	149-497													
			2085	306	2904-3209													
			2904	266	3900-4165													
			3210	195	1377-1571													
			3900	116	4166-4281													
			4166	87	62-148													
			4282	63	4282-4344													
			4345	12	2073-2084													
					MscI			1	2866	4759	2866-2865							
					TGG CCA													
MboII GAAGANNNNNNNN NNNNNNNTCTTC	13		948	1662	4045-947				8	1819	2108-3926							
			993	877	2268-3144					1485	1477	8-1484						
			996	849	1191-2039					1546	769	3998-7						
			1191	228	2040-2267					1667	271	1837-2107						
			2040	210	3145-3354					1688	121	1546-1666						
			2268	200	3602-3801					1699	98	1739-1836						
			3145	195	996-1190					1711	61	1485-1545						
			3355	172	3802-3973					1722	52	3946-3997						
			3435	167	3435-3601					1739	21	1667-1687						
			3602	80	3355-3434					1837	17	1722-1738						
			3802	71	3974-4044					2108	14	3927-3940						
			3974	45	948-992					3927	12	1699-1710						
			4045	3	993-995					3941	11	1688-1698						
							MseI			15								
					T TAA													
					MspI			7	366	2029	1192-3220							
					CAYNN NNRTG													
									706	1904	3221-365							
									736	340	366-705							
									886	177	886-1062							
									1063	150	736-885							
									1192	129	1063-1191							
									3221	30	706-735							
					MspA1 I			5	615	1667	615-2281							
					CMG CKG													
									2282	1229	2890-4118							
									2890	1010	4364-614							
									4119	608	2282-2889							
									4364	245	4119-4363							

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
MwoI	37	91	1088	923-2010	NcoI	4	361	1904	3216-360
GCNNNNN NNGC		213	572	4084-4655	C CATGG		704	1809	704-2512
		245	267	3227-3493			2513	703	2513-3215
		284	239	2112-2350			3216	343	361-703
		377	217	401-617	NdeI	1	235	4759	235-234
		401	216	2559-2774	CA TATG				
		618	204	3681-3884	NgoMI	3	2001	3193	3567-2000
		621	199	3885-4083	G CCGGC		3284	1283	2001-3283
		635	194	4656-90			3567	283	3284-3566
		657	187	3494-3680	NheI	1	592	4759	592-591
		797	140	657-796	G CTAGC				
		857	139	2882-3020	NlaIII	22	305	807	1407-2213
		870	122	91-212	CATG		365	720	3986-4705
		914	117	3027-3143			600	384	3602-3985
		923	93	284-376			708	356	3246-3601
		2011	84	2775-2858			942	345	2658-3002
		2041	83	3144-3226			972	307	4757-304
		2068	79	2474-2552			1167	235	365-599
		2110	72	2351-2422			1362	234	708-941
		2112	60	797-856			1407	195	972-1166
		2351	51	2423-2473			2214	195	1167-1361
		2423	44	870-913			2354	186	3003-3188
		2474	42	2068-2109			2426	141	2517-2657
		2553	39	245-283			2517	140	2214-2353
		2559	32	213-244			2658	108	600-707
		2775	30	2011-2040			3003	91	2426-2516
		2859	27	2041-2067			3189	72	2354-2425
		2882	24	377-400			3220	60	305-364
		3021	23	2859-2881			3246	51	4706-4756
		3027	22	635-656			3602	45	1362-1406
		3144	14	621-634			3986	31	3189-3219
		3227	13	857-869			4706	30	942-971
		3494	9	914-922			4757	26	3220-3245
		3681	6	3021-3026	NaeI	3	2003	3193	3569-2002
		3885	6	2553-2558	GCC GGC		3286	1283	2003-3285
		4084	3	618-620			3569	283	3286-3568
		4656	2	2110-2111	NarI	1	2784	4759	2784-2783
					GG CGCC				
NciI	7	645	1399	1389-2787	NlaIV	18	468	848	2820-3667
CC SGG		735	1079	4325-644	GGN NCC		652	843	3792-4634
		1389	764	3561-4324			689	658	1281-1938
		2788	654	735-1388			743	553	4674-467
		2948	613	2948-3560			1281	538	743-1280
		3561	160	2788-2947			1939	389	2396-2784
		4325	90	645-734			1960	191	1972-2162
							1972	184	468-651
							2163	161	2163-2323
							2324	79	3668-3746
							2396	72	2324-2395
							2785	54	689-742
							2820	45	3747-3791
							3668	39	4635-4673
							3747	37	652-688

		Sites		Fragments				Sites		Fragments	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			3792	35	2785-2819			NNNNGAAGAGC			
			4635	21	1939-1959			Sau3AI 23 586 1209 4136-585			
			4674	12	1960-1971			GATC 671 1180 1441-2620			
NotI		1	1428	4759	1428-1427			687 518 687-1204			
GC GGCCGC								1205 376 3201-3576			
NsiI		3	2356	2356	4759-2355			1353 359 3593-3951			
ATGCA T								1391 311 2644-2954			
			2428	2331	2428-4758			1441 148 1205-1352			
			4759	72	2356-2427			2621 85 586-670			
NspI		5	600	1754	600-2353			2625 81 3033-3113			
RCATG Y								2644 78 3964-4041			
			2354	1517	3189-4705			2955 78 3123-3200			
			2426	763	2426-3188			3033 78 2955-3032			
			3189	653	4706-599			3114 75 4061-4135			
			4706	72	2354-2425			3123 50 1391-1440			
PfiI		1	681	4759	681-680			3201 38 1353-1390			
CCANNNN NTGG								3577 19 2625-2643			
PleI		7	405	1182	2267-3448			3593 16 671-686			
GAGTCNNNN								3952 16 3577-3592			
NNNNGACTC			1429	1024	405-1428			3964 12 3952-3963			
			1835	877	3449-4325			4042 11 4050-4060			
			1843	838	4326-404			4050 9 3114-3122			
			2267	424	1843-2266			4061 8 4042-4049			
			3449	406	1429-1834			4136 4 2621-2624			
			4326	8	1835-1842			Sau96 I 12 84 1409 1891-3299			
Ppu10 I		3	2352	2356	4755-2351			GNCC 277 961 3882-83			
A TGCAT								642 529 1362-1890			
			2424	2331	2424-4754			878 445 3300-3744			
			4755	72	2352-2423			1279 401 878-1278			
PstI		1	914	4759	914-913			1362 365 277-641			
CTGCA G								1891 236 642-877			
PvuII		2	2282	4151	2890-2281			3300 193 84-276			
CAG CTG								3745 83 1279-1361			
			2890	608	2282-2889			3791 58 3791-3848			
								3849 46 3745-3790			
								3882 33 3849-3881			
RsaI		9	220	1889	3090-219			ScrFI 23 91 931 1389-2319			
GT AC								CC NGG 284 472 3853-4324			
			245	1673	1417-3089			645 396 2392-2787			
			300	594	541-1134			735 390 3171-3560			
			333	282	1135-1416			751 361 284-644			
			384	157	384-540			776 272 1117-1388			
			541	55	245-299			988 223 2948-3170			
			1135	51	333-383			1063 218 4325-4542			
			1417	33	300-332			1117 193 91-283			
			3090	25	220-244			1389 189 3561-3749			
RsrII		1	3300	4759	3300-3299			2320 173 4677-90			
CG GWCCG								2375 160 2788-2947			
SapI		2	3128	4549	3338-3127			2392 125 751-875			
GCTCTTCN								2788 121 4556-4676			
			3338	210	3128-3337						

Sites					Fragments			
	Number	Position	Length	Ends				
		2948	112	876-987				
		3171	103	3750-3852				
		3561	90	645-734				
		3750	75	988-1062				
		3853	55	2320-2374				
		4325	54	1063-1116				
		4543	17	2375-2391				
		4556	16	735-750				
		4677	13	4543-4555				
SexAI A CCWGGT	1	2373	4759	2373-2372				
SfaNI GCATC NNNNN NNNNNNNNNGATGC ...	15	358	1183	3422-4604				
		804	763	1600-2362				
		1082	512	4605-357				
		1097	446	358-803				
		1196	404	1196-1599				
		1600	307	2435-2741				
		2363	278	804-1081				
		2435	255	2742-2996				
		2742	209	3213-3421				
		2997	99	1097-1195				
		3083	86	2997-3082				
		3147	72	2363-2434				
		3213	66	3147-3212				
		3422	64	3083-3146				
		4605	15	1082-1096				
Sfcl C TRYAG	4	910	2127	2119-4245				
		2119	1232	4437-909				
		4246	1209	910-2118				
		4437	191	4246-4436				
Sfil GGCC NNNN NGGCC	1	2559	4759	2559-2558				
SnaBI TAC GTA	1	341	4759	341-340				
SphI GCATG C	3	2354	3924	3189-2353				
		2426	763	2426-3188				
		3189	72	2354-2425				
Sspl AAT ATT	2	1692	4206	2245-1691				
		2245	553	1692-2244				
StuI AGG CCT	1	2605	4759	2605-2604				
StyI C CWWGG	6	361	1809	704-2512				
		704	1499	3621-360				
		2513	610	2606-3215				
		2606	405	3216-3620				
		3216	343	361-703				
		3621	93	2513-2605				
Tail ACGT	17	126	891	2012-2902				
		138	881	4004-125				
		179	781	3090-3870				
		262	690	1157-1846				
		343	325	448-772				
		448	213	773-985				
		773	187	2903-3089				
		986	171	986-1156				
		1157	133	3871-4003				
		1847	110	1902-2011				
		1859	105	343-447				
		1902	83	179-261				
		2012	81	262-342				
		2903	43	1859-1901				
		3090	41	138-178				
		3871	12	126-137				
		4004	12	1847-1858				
TaqI T CGA	16	755	910	4604-754				
		1049	838	3766-4603				
		1076	713	1220-1932				
		1091	691	1933-2623				
		1220	294	755-1048				
		1933	273	2624-2896				
		2624	255	3511-3765				
		2897	191	3275-3465				
		3053	162	3113-3274				
		3077	156	2897-3052				
		3113	129	1091-1219				
		3275	45	3466-3510				
		3466	36	3077-3112				
		3511	27	1049-1075				
		3766	24	3053-3076				
		4604	15	1076-1090				
TfII G AWTC	5	3269	3300	4728-3268				
		3403	1178	3550-4727				
		3513	134	3269-3402				
		3550	110	3403-3512				
		4728	37	3513-3549				
TseI G CWGC	22	615	1013	4361-614				
		618	665	2079-2743				
		621	519	1560-2078				
		864	453	3408-3860				
		945	387	3021-3407				
		1229	284	945-1228				
		1236	270	1290-1559				
		1287	243	621-863				

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends
			1290	226	3861-4086
			1560	206	4087-4292
			2079	101	2744-2844
			2744	93	2928-3020
			2845	81	864-944
			2887	65	4296-4360
			2928	51	1236-1286
			3021	42	2845-2886
			3408	41	2887-2927
			3861	7	1229-1235
			4087	3	4293-4295
			4293	3	615-617
			4296	3	618-620
			4361	3	1287-1289
<hr/>					
Tsp45 I	5	888	2437	3210-887	
GTSAC		1377	831	2073-2903	
		2073	696	1377-2072	
		2904	489	888-1376	
		3210	306	2904-3209	
<hr/>					
Tsp509 I	10	19	1515	19-1533	
AATT		1534	1418	2524-3941	
		1598	836	3942-18	
		1676	647	1713-2359	
		1702	92	2432-2523	
		1713	78	1598-1675	
		2360	72	2360-2431	
		2432	64	1534-1597	
		2524	26	1676-1701	
		3942	11	1702-1712	
<hr/>					
TspRI	7	662	1283	1630-2912	
CAGTGNN		919	1114	4307-661	
CACTGNN		1630	1110	2913-4022	
		2913	711	919-1629	
		4023	271	4023-4293	
		4294	257	662-918	
		4307	13	4294-4306	
<hr/>					
Tth111 I	1	2902	4759	2902-2901	
GACN NNGTC					
<hr/>					
XbaI	1	1438	4759	1438-1437	
T CTAGA					

The following restriction enzymes do not cut pEYFP-Mito:

AccI, AhdI, ApaI, AscI, Asp718 I, AvaI, BbsI, Bcl I, Bgl II, BlpI,

BsiWI, BsmBI, Bsp120 I, BspEI, Bst1107 I, BstEII, BstXI, Ecl136 II,
Eco47 III, EcoNI,

EcoRI, EcoRV, FseI, HindIII, KpnI, MluI, NruI, PacI, PmeI, Pml I,

PpuMI, PshAI, Psp1406 I, PvuI, SacI, SacII, Sal I, ScaI, SgfI, SgrAI,

SmaI, SpeI, SrfI, Sse8387 I, SwaI, XcmI, XhoI, XmaI, XmnI.