

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
AatII GACGT C	4	126	4986	448	448-125			3463	32	938	938-969	
		179	186	262	262-447			3564	28	5180	5180-5207	
		262	83	179	179-261			3567	28	59	59-86	
		448	53	126	126-178			3807	28	2620	2620-2647	
AccI GT MKAC	1	641	5308	641	641-640			3847	27	2593	2593-2619	
								3852	26	3918	3918-3943	
AclI C CGC G CGG	71	59	613	1980	1980-2592			3902	21	508	508-528	
		87	465	1008	1008-1472			3918	19	5034	5034-5052	
		99	240	3567	3567-3806			3944	16	3902	3902-3917	
		113	234	4425	4425-4658			4000	14	99	99-112	
		280	231	707	707-937			4069	14	2651	2651-2664	
		371	185	2818	2818-3002			4072	13	652	652-664	
		404	167	113	113-279			4138	12	3024	3024-3035	
		508	139	3103	3103-3241			4220	12	87	87-98	
		529	138	1620	1620-1757			4285	12	3003	3003-3014	
		590	135	4668	4668-4802			4352	11	3046	3046-3056	
		650	127	5053	5053-5179			4425	10	3036	3036-3045	
		652	121	4913	4913-5033			4659	9	3015	3015-3023	
		665	113	1758	1758-1870			4668	9	4659	4659-4667	
		707	110	4803	4803-4912			4803	5	3847	3847-3851	
		938	104	404	404-507			4913	4	1976	1976-1979	
		970	101	3463	3463-3563			5034	3	3564	3564-3566	
		1008	94	3305	3305-3398			5053	3	2648	2648-2650	
		1473	91	280	280-370			5180	3	4069	4069-4071	
		1514	91	5208	5208-5298			5208	3	1931	1931-1933	
		1581	82	4138	4138-4219			5299	2	650	650-651	
		1620	73	4352	4352-4424			Afl II C TTAAG				
		1758	69	4000	4000-4068							
		1871	68	5299	5299-58			Afl III A CRYGT				
		1931	67	4285	4285-4351							
		1934	67	1514	1514-1580			AluI AG CT				
		1976	66	4072	4072-4137							
		1980	65	4220	4220-4284			23	567	797	3897	3897-4693
		2593	64	3399	3399-3462				619	788	5087	5087-566
		2620	63	3242	3242-3304				625	458	3439	3439-3896
		2648	63	2755	2755-2817				894	381	894	894-1274
		2651	61	529	529-589				1275	320	3119	3119-3438
		2665	60	1871	1871-1930				1308	295	2536	2536-2830
		2708	60	590	590-649				1380	288	2831	2831-3118
		2755	56	3944	3944-3999				1413	269	625	625-893
	2818	50	3852	3852-3901				1629	257	4694	4694-4950	
	3003	47	2708	2708-2754				1677	257	2279	2279-2535	
	3015	46	3057	3057-3102				1788	216	1413	1413-1628	
	3024	43	2665	2665-2707				1962	174	1788	1788-1961	
	3036	42	1934	1934-1975				2112	167	2112	2112-2278	
	3046	42	665	665-706				2279	150	1962	1962-2111	
	3057	41	1473	1473-1513				2536	111	1677	1677-1787	
	3103	40	3807	3807-3846				2831	90	4997	4997-5086	
	3242	39	1581	1581-1619				3119	72	1308	1308-1379	
	3305	38	970	970-1007				3439	52	567	567-618	
	3399	33	371	371-403				3897	48	1629	1629-1676	

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		4694	46	4951-4996	G GWCC		3849	1938	1911-3848
		4951	33	1275-1307			4294	445	3849-4293
		4997	33	1380-1412	AvrII	3	819	2336	819-3154
		5087	6	619-624	C CTAGG		3155	1957	4170-818
							4170	1015	3155-4169
Alw26 I	5	435	2322	435-2756	BamHI	1	661	5308	661-660
GTCTCN		2757	1421	4322-434	G GATCC				
NNNNNGAGAC		3175	1019	3175-4193					
		4194	418	2757-3174					
		4322	128	4194-4321					
AlwI	17	581	1253	1948-3200	BanI	8	466	2407	3367-465
GGATCNNNN		656	1196	4693-580	G GYRCC		646	1196	1290-2485
NNNNNGATCC		669	616	1133-1748			961	846	2486-3331
		1133	464	669-1132			1109	315	646-960
		1749	363	3758-4120			1290	181	1109-1289
		1948	358	4150-4507			2486	180	466-645
		3201	311	3201-3511			3332	148	961-1108
		3512	199	1749-1947			3367	35	3332-3366
		3577	181	3577-3757	BanII	6	621	1739	785-2523
		3758	96	4509-4604	GRGCY C		658	1521	4408-620
		4121	86	4607-4692			785	1174	2524-3697
		4150	75	581-655			2524	710	3698-4407
		4508	65	3512-3576			3698	127	658-784
		4509	29	4121-4149			4408	37	621-657
		4605	13	656-668	BbeI	1	3336	5308	3336-3335
		4607	2	4605-4606	GGCGC C				
		4693	1	4508-4508					
AlwNI	2	4434	4900	4842-4433	BbsI	2	794	5194	908-793
CAGNNN CTG		4842	408	4434-4841	GAAGACNN		908	114	794-907
					NNNNNNGTCTTC				
Apal	2	658	5181	785-657	BbvI	20	947	1333	4922-946
GGGCC C		785	127	658-784	GCAGCNNNNNNN		1400	665	2615-3279
					NNNNNNNNNNNGCT.1506		1790	453	3969-4421
ApaLI	2	1145	3792	1145-4936			1797	453	947-1399
G TGCAC		4937	1516	4937-1144			1823	412	3557-3968
							1826	295	1826-2120
ApoI	4	630	3676	2262-629			2121	284	1506-1789
R AATTY		2147	1517	630-2146			2615	206	4623-4828
		2251	104	2147-2250			3280	201	4422-4622
		2262	11	2251-2261			3406	126	3280-3405
							3448	106	1400-1505
Asel	1	8	5308	8-7			3464	93	3464-3556
AT TAAT							3557	90	4832-4921
Asp718 I	2	646	4845	1109-645			3969	42	3406-3447
G GTACC		1109	463	646-1108			4422	26	1797-1822
							4623	16	3448-3463
AvaI	2	614	5265	657-613			4829	7	1790-1796
CYCGRG		657	43	614-656			4832	3	1823-1825
							4922	3	4829-4831
Avall	3	1911	2925	4294-1910					

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			4387	35	4302-4336			BsmFI	11	176	1628 1221-2848
			4388	32	4138-4169			GGGACNNNNNNNNNNN ...	327	1204	4280-175
			4419	31	4388-4418			NNNNNNNNNNNNNG...	495	726	495-1220
			4772	20	930-949				1221	532	3484-4015
			5051	18	5217-5234				2849	499	2985-3483
			5217	1	4170-4170				2921	168	327-494
			5235	1	4387-4387				2985	155	4125-4279
BseRI	3	1058	3215	3151-1057				3484	151	176-326	
		GAGGAGNNNNNNNNNN	1285	1866	1285-3150				4016	109	4016-4124
		NNNNNNNNCTCCTC ...	3151	227	1058-1284				4125	72	2849-2920
									4280	64	2921-2984
BsgI	3	1383	4887	1804-1382			BsmI	4	814	3945	2177-813
		GTGCAGNNNNNNNNNN	1480	324	1480-1803			GAATGCN		853	1231 853-2083
		NNNNNNNNNNNNNC.	1804	97	1383-1479			G CATTC		2084	93 2084-2176
									2177	39	814-852
BsiEI	3	1980	2371	4917-1979							
		CGRY CG	3242	1675	3242-4916			Bsp120 I	2	654	5181 781-653
			4917	1262	1980-3241			G GCCC		781	127 654-780
BsiHKAI	6	621	1582	1864-3445							
		GWGCW C	1149	1305	3636-4940			Bsp1286 I	16	621	988 4941-620
			1864	988	4941-620			GDGCH C		658	755 2524-3278
			3446	715	1149-1863					785	710 3698-4407
			3636	528	621-1148					1149	660 1864-2523
			4941	190	3446-3635					1295	533 4408-4940
BsII	26	50	718	50-767					1424	364	785-1148
		CCNNNNN NNGG	768	544	3314-3857					1673	249 1424-1672
			931	408	1937-2344					1864	191 1673-1863
			951	392	2671-3062					2524	190 3446-3635
			1121	353	4420-4772					3279	146 1149-1294
			1203	350	1587-1936					3372	129 1295-1423
			1424	326	2345-2670					3446	127 658-784
			1587	281	3858-4138					3636	93 3279-3371
			1937	279	4773-5051					3698	74 3372-3445
			2345	251	3063-3313					4408	62 3636-3697
			2671	221	1203-1423					4941	37 621-657
			3063	170	951-1120			BspHI	2	2759	3536 4531-2758
			3314	166	5052-5217			T CATGA		4531	1772 2759-4530
			3858	163	768-930						
			4139	163	1424-1586			BspLU11 I	2	1158	4093 1158-5250
			4171	131	4172-4302			A CATGT		5251	1215 5251-1157
			4172	122	5236-49						
			4303	82	1121-1202			BspMI	4	1007	2264 4051-1006
			4338	50	4338-4387			ACCTGCNNNN		3220	2213 1007-3219
			4388	35	4303-4337			NNNNNNNNGCAGGT ...	3601	450	3601-4050
			4389	32	4139-4170				4051	381	3220-3600
			4420	31	4389-4419						
			4773	20	931-950			BsrBI	4	2593	3901 4000-2592
			5052	18	5218-5235			GAG CGG		2757	1189 2757-3945
			5218	1	4171-4171			CCG CTC		3946	164 2593-2756
			5236	1	4388-4388				4000	54	3946-3999

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
BsrDI GCAATGNN CATTGC	2	779 3566	2787 2521	779-3565 3566-778		5224	1	656-656	
BsrFI R CCGGY	6	721 1405 2550 3652 3833 4116	1913 1145 1102 684 283 181	4116-720 1405-2549 2550-3651 721-1404 3833-4115 3652-3832	BssSI C ACGAG C TCGTG	4	1435 3925 4051 5078	2490 1665 1027 126	1435-3924 5078-1434 4051-5077 3925-4050
BsrGI T GTACA	1	1964	5308	1964-1963	BstBI TT CGAA	2	628 4015	3387 1921	628-4014 4015-627
BsrI ACTGNN C CAGT	11	296 701 1019 1866 2362 3040 3277 3478 4724 4836 4849	1246 847 755 678 496 405 318 237 201 112 13	3478-4723 1019-1865 4849-295 2362-3039 1866-2361 296-700 701-1018 3040-3276 3277-3477 4724-4835 4836-4848	BstF5 I GGATGNN CATCC	8	1103 1295 1661 3019 3193 3650 3675 4129	2282 1358 457 454 366 192 174 25	4129-1102 1661-3018 3193-3649 3675-4128 1295-1660 1103-1294 3019-3192 3650-3674
BssKI CCNGG	27	89 282 656 657 783 791 950 1282 1298 1423 1535 1610 1664 1936 2867 2922 2939 3335 3495 3718 4108 4297 4400 4872 5090 5103	931 472 396 390 374 332 272 223 218 193 189 173 160 159 126 125 121 112 103 75 55 54 17 16 13 8	1936-2866 4400-4871 2939-3334 3718-4107 282-655 950-1281 1664-1935 3495-3717 4872-5089 89-281 4108-4296 5224-88 3335-3494 791-949 657-782 1298-1422 5103-5223 1423-1534 4297-4399 1535-1609 2867-2921 1610-1663 2922-2938 1282-1297 5090-5102 783-790	BstNI CC WGG	18	91 284 793 952 1300 1425 1537 1612 1666 2869 2924 2941 3720 4299 4402 5092 5105 5226	1203 779 690 579 509 348 193 173 159 125 121 112 103 75 55 54 17 13	1666-2868 2941-3719 4402-5091 3720-4298 284-792 952-1299 91-283 5226-90 793-951 1300-1424 5105-5225 1425-1536 4299-4401 1537-1611 2869-2923 1612-1665 2924-2940 5092-5104
					BstUI CG CG	18	61 652 1583 1901 1982 2257 2633 2653 2677 2708 3399 3700 4138 4222 4285	931 691 591 581 438 376 318 301 275 273 161 84 81 69 63	652-1582 2708-3398 61-651 4627-5207 3700-4137 2257-2632 1583-1900 3399-3699 1982-2256 4354-4626 5208-60 4138-4221 1901-1981 4285-4353 4222-4284

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		4354	31	2677-2707			4408	14	2595-2608
		4627	24	2653-2676			4430	7	1783-1789
		5208	20	2633-2652			4641	6	3698-3703
BstXI	1	1254	5308	1254-1253			5201	4	3777-3780
CCANNNNN NTGG							5238	4	3732-3735
BstYI	12	586	1750	1754-3503	Clal	1	3173	5308	3173-3172
R GATCY		610	1284	4610-585	AT CGAT				
		661	629	1125-1753	Csp6 I	11	219	1889	3638-218
		1125	464	661-1124	G TAC		244	1673	1965-3637
		1754	392	3750-4141			299	573	1110-1682
		3504	359	4142-4500			332	463	647-1109
		3750	246	3504-3749			383	282	1683-1964
		4142	86	4513-4598			540	157	383-539
		4501	51	610-660			647	107	540-646
		4513	24	586-609			1110	55	244-298
		4599	12	4501-4512			1683	51	332-382
		4610	11	4599-4609			1965	33	299-331
Bsu36 I	2	2813	3676	4445-2812			3638	25	219-243
CC TNAGG		4445	1632	2813-4444	Cvi I	103	43	289	278-566
Cac8 I	35	87	762	1790-2551	RG CY		85	281	2550-2830
GCN NGC		280	560	4641-5200			94	251	4443-4693
		594	445	933-1377			278	184	94-277
		654	324	1459-1782			567	180	3913-4092
		933	314	280-593			619	167	2112-2278
		1378	283	3835-4117			625	142	2299-2440
		1411	279	654-932			656	133	1829-1961
		1459	273	2609-2881			700	123	2944-3066
		1783	254	2973-3226			706	122	4181-4302
		1790	219	3413-3631			721	111	5240-42
		2552	211	4430-4640			783	110	2002-2111
		2595	193	87-279			796	100	1529-1628
		2609	187	4118-4304			894	98	5087-5184
		2882	186	3227-3412			973	98	796-893
		2901	157	5238-86			980	90	4997-5086
		2954	66	3632-3697			1064	84	3318-3401
		2973	60	594-653			1091	84	980-1063
		3227	56	4352-4407			1139	83	3723-3805
		3413	54	3781-3834			1192	81	3160-3240
		3632	53	2901-2953			1246	81	2441-2521
		3698	48	1411-1458			1275	79	894-972
		3704	47	4305-4351			1308	79	4842-4920
		3732	43	2552-2594			1328	76	3477-3552
		3736	41	3736-3776			1380	72	2872-2943
		3777	37	5201-5237			1413	71	1717-1787
		3781	33	1378-1410			1428	65	4777-4841
		3835	28	3704-3731			1472	63	3589-3651
		4118	22	4408-4429			1529	62	721-782
		4305	19	2882-2900			1629	61	4120-4180
		4352	19	2954-2972			1677	57	4342-4398
							1697	57	1472-1528

<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>		
Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends
1717	54	1192-1245		4406	11	4432-4442					
1788	53	1139-1191		4413	11	5229-5239					
1829	52	567-618		4432	10	3696-3705					
1962	52	1328-1379		4443	9	3102-3110					
1979	48	1091-1138		4694	9	85-93					
2002	48	1629-1676		4723	9	3402-3410					
2112	46	4951-4996		4766	8	3258-3265					
2279	44	656-699		4777	8	3111-3118					
2299	44	3652-3695		4842	7	4406-4412					
2441	44	1428-1471		4921	7	4399-4405					
2522	43	4723-4765		4946	7	973-979					
2536	42	43-84		4951	6	3096-3101					
2550	41	2831-2871		4997	6	619-624					
2831	41	1788-1828		5087	6	700-705					
2872	39	4303-4341		5185	6	3154-3159					
2944	38	3439-3476		5211	5	4946-4950					
3067	37	3837-3873		5229	4	3833-3836					
3096	33	1275-1307		5240	4	3411-3414					
3102	33	1380-1412									
3111	31	625-655		Ddel	9	607	1251	607-1857			
3119	29	4694-4722		C TNAG		1858	938	4977-606			
3142	29	1246-1274				1876	937	1876-2812			
3154	29	3067-3095				2813	881	3115-3995			
3160	27	1064-1090				3115	449	3996-4444			
3241	27	3266-3292				3996	409	4568-4976			
3258	27	3806-3832				4445	302	2813-3114			
3266	27	4093-4119				4568	123	4445-4567			
3293	26	5185-5210				4977	18	1858-1875			
3318	25	4921-4945									
3402	25	3293-3317		Dpnl	25	588	1209	4687-587			
3411	24	3415-3438		GA TC		612	1180	1992-3171			
3415	23	3119-3141				663	624	1132-1755			
3439	23	1979-2001				1127	464	663-1126			
3477	23	3874-3896				1132	376	3752-4127			
3553	20	1677-1696				1756	359	4144-4502			
3570	20	1697-1716				1904	311	3195-3505			
3589	20	1308-1327				1942	148	1756-1903			
3652	20	2279-2298				1992	81	3584-3664			
3696	19	4413-4431				3172	78	3674-3751			
3706	19	3570-3588				3176	78	3506-3583			
3723	18	5211-5228				3195	78	4515-4592			
3806	17	3241-3257				3506	75	4612-4686			
3833	17	3553-3569				3584	51	612-662			
3837	17	3706-3722				3665	50	1942-1991			
3874	17	1962-1978				3674	38	1904-1941			
3897	16	3897-3912				3752	24	588-611			
3913	15	1413-1427				4128	19	3176-3194			
4093	15	706-720				4144	16	4128-4143			
4120	14	2536-2549				4503	12	4503-4514			
4181	14	2522-2535				4515	11	4601-4611			
4303	13	783-795				4593	9	3665-3673			
4342	12	3142-3153				4601	8	4593-4600			
4399	11	4766-4776				4612	5	1127-1131			

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
		4687		4	3172-3175			RG GNCCY	1137	1658	4431-780
									1191	356	781-1136
									4431	54	1137-1190
Dral	3	2035	2847	4496-2034			EcoRI	1	630	5308	630-629
TTT AAA		4477	2442	2035-4476			G AATTC				
		4496	19	4477-4495			EcoRII	18	89	1203	1664-2866
Drall	2	1031	3890	2449-1030			CCWGG		282	779	2939-3717
CACNNN GTG		2449	1418	1031-2448					791	690	4400-5089
DrdI	3	2404	2563	5149-2403					950	579	3718-4296
GACNNNN NNGTC		3360	1789	3360-5148					1298	509	282-790
		5149	956	2404-3359					1423	348	950-1297
Dsal	6	361	1904	3765-360					1535	193	89-281
C CRYGG		650	1809	1253-3061					1610	173	5224-88
		1202	703	3062-3764					1664	159	791-949
		1253	552	650-1201					2867	125	1298-1422
		3062	289	361-649					2922	121	5103-5223
		3765	51	1202-1252					2939	112	1423-1534
EaeI	10	698	2175	3831-697					3718	103	4297-4399
Y GCCR		971	1262	1977-3238					4297	75	1535-1609
		1244	391	3413-3803					4400	55	2867-2921
		1326	389	1326-1714					5090	54	1610-1663
		1715	273	698-970					5103	17	2922-2938
		1977	273	971-1243					5224	13	5090-5102
		3239	262	1715-1976			EheI	1	3334	5308	3334-3333
		3413	174	3239-3412			G GCC				
		3804	82	1244-1325			FauI	15	94	1043	4359-93
		3831	27	3804-3830			CCC G C NNNN		120	998	1588-2585
EagI	2	1977	4046	3239-1976			NNNNN NGCGGG		287	943	645-1587
C GGCCG		3239	1262	1977-3238					645	537	3456-3992
EarI	3	2800	4221	3887-2799					1588	425	3031-3455
CTCTTCN		3677	877	2800-3676					2586	358	287-644
NNNNGAAGAG		3887	210	3677-3886					2655	355	2655-3009
Ecl136 II	1	619	5308	619-618					3010	167	120-286
GAG CTC											
Eco47 III	1	597	5308	597-596					3031	138	3993-4130
AGC GCT											
Eco57 I	7	1113	1828	1651-3478					3456	96	4131-4226
CTGAAGNNNNNNNNNNM.	408	1712	4709	1112					3993	81	4278-4358
NNNNNNNNNNNNNNNC.	1452	798	3911	4708					4131	69	2586-2654
		1651	432	3479-3910					4227	51	4227-4277
		3479	295	1113-1407					4278	26	94-119
		3911	199	1452-1650					4359	21	3010-3030
		4709	44	1408-1451			Fnu4HI	42	707	806	5209-706
EcoO109 I	4	781	3240	1191-4430			G NGC		936	519	2110-2628
									971	438	2665-3102
									1009	405	1009-1413
									1414	339	4072-4410
									1473	284	1495-1778
									1495	236	3571-3806
									1779	229	707-935

					<u>Sites</u>					<u>Fragments</u>				
					Number	Position	Length	Ends						
					1786	211	4426-4636							
					1837	206	4637-4842							
					1840	155	5054-5208							
					1934	143	4911-5053							
					1977	139	3103-3241							
					1980	130	1980-2109							
					2110	114	3958-4071							
					2629	96	3807-3902							
					2651	94	1840-1933							
					2665	90	3305-3394							
					3103	87	3478-3564							
					3242	65	4846-4910							
					3294	59	1414-1472							
					3305	52	3242-3293							
					3395	51	1786-1836							
					3400	43	1934-1976							
					3437	41	3903-3943							
					3478	41	3437-3477							
					3565	38	971-1008							
					3568	37	3400-3436							
					3571	35	936-970							
					3807	22	2629-2650							
					3903	22	1473-1494							
					3944	15	4411-4425							
					3958	14	3944-3957							
					4072	14	2651-2664							
					4411	11	3294-3304							
					4426	7	1779-1785							
					4637	5	3395-3399							
					4843	3	1837-1839							
					4846	3	3568-3570							
					4911	3	3565-3567							
					5054	3	4843-4845							
					5209	3	1977-1979							
FokI					8	1110	2282	4136-1109						
GGATGNNNNNNNNN ...					1282	1358	1648-3005							
NNNNNNNNNNNNCA					1648	457	3200-3656							
					3006	454	3682-4135							
					3200	366	1282-1647							
					3657	194	3006-3199							
					3682	172	1110-1281							
					4136	25	3657-3681							
FspI					1	3435	5308	3435-3434						
TGC GCA														
HaeII					5	599	2001	599-2599						
RGC C Y					2600	1675	3336-5010							
					2608	896	5011-598							
					3336	728	2608-3335							
					5011	8	2600-2607							
HaeIII					33	85	655	2441-3095						
GG CC					278	509	3833-4341							
					656	434	4777-5210							
					700	391	3415-3805							
					721	378	278-655							
					783	345	4432-4776							
					796	320	1979-2298							
					973	289	1428-1716							
					1139	193	85-277							
					1192	177	796-972							
					1246	174	3241-3414							
					1328	166	973-1138							
					1428	153	5240-84							
					1717	150	1829-1978							
					1829	142	2299-2440							
					1979	112	1717-1828							
					2299	100	1328-1427							
					2441	87	3154-3240							
					3096	82	1246-1327							
					3102	62	721-782							
					3111	57	4342-4398							
					3154	54	1192-1245							
					3241	53	1139-1191							
					3415	44	656-699							
					3806	43	3111-3153							
					3833	33	4399-4431							
					4342	27	3806-3832							
					4399	21	700-720							
					4432	18	5211-5228							
					4777	13	783-795							
					5211	11	5229-5239							
					5229	9	3102-3110							
					5240	6	3096-3101							
HgaI					6	527	2139	527-2665						
GACGCNNNNN					2666	1377	2666-4042							
NNNNNNNNNNNGCGTC					4043	696	5139-526							
					4122	578	4561-5138							
					4561	439	4122-4560							
					5139	79	4043-4121							
HhaI					24	598	946	598-1543						
GCG C					1544	829	5077-597							
					1585	698	1901-2598							
					1901	619	2708-3326							
					2599	403	4224-4626							
					2607	316	1585-1900							
					2633	266	3436-3701							
					2655	260	3702-3961							
					2664	176	3962-4137							
					2677	174	4736-4909							
					2708	109	4627-4735							
					3327	100	4910-5009							

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3335	86	4138-4223			4004	134	3818-3951
		3399	67	5010-5076			4062	58	4004-4061
		3436	64	3335-3398			4099	52	3952-4003
		3702	41	1544-1584			4881	37	4062-4098
		3962	37	3399-3435			5277	22	2376-2397
		4138	31	2677-2707					
		4224	26	2607-2632	HpaI	1	2096	5308	2096-2095
		4627	22	2633-2654	GTT AAC				
		4736	13	2664-2676					
		4910	9	2655-2663	HpaII	24	602	864	5046-601
		5010	8	2599-2606	C CGG		658	687	2551-3237
		5077	8	3327-3334			722	614	1937-2550
							785	531	1406-1936
HinP1 I	24	596	946	596-1541			1283	498	785-1282
G CGC		1542	829	5075-595			1346	474	4209-4682
		1583	698	1899-2596			1406	275	3834-4108
		1899	619	2706-3324			1937	190	4683-4872
		2597	403	4222-4624			2551	181	3653-3833
		2605	316	1583-1898			3238	147	4899-5045
		2631	266	3434-3699			3315	131	3365-3495
		2653	260	3700-3959			3337	92	4117-4208
		2662	176	3960-4135			3365	90	3496-3585
		2675	174	4734-4907			3496	77	3238-3314
		2706	109	4625-4733			3586	67	3586-3652
		3325	100	4908-5007			3653	64	658-721
		3333	86	4136-4221			3834	63	1283-1345
		3397	67	5008-5074			4109	63	722-784
		3434	64	3333-3396			4117	60	1346-1405
		3700	41	1542-1582			4209	56	602-657
		3960	37	3397-3433			4683	28	3337-3364
		4136	31	2675-2705			4873	26	4873-4898
		4222	26	2605-2630			4899	22	3315-3336
		4625	22	2631-2652			5046	8	4109-4116
		4734	13	2662-2674					
		4908	9	2653-2661	HphI	10	377	1165	4520-376
		5008	8	2597-2604	GGTGANNNNNNNN		1269	1061	2450-3510
		5075	8	3325-3332	NNNNNNNTCACC		1272	893	3511-4403
							1602	892	377-1268
HinCI	2	642	3854	2096-641			1626	695	1755-2449
GTY CAC		2096	1454	642-2095			1755	330	1272-1601
							2450	129	1626-1754
HindIII	2	623	5039	892-622			3511	116	4404-4519
A AGCTT		892	269	623-891			4404	24	1602-1625
							4520	3	1269-1271
HinFI	14	411	1010	2808-3817					
G ANTC		605	930	1054-1983	KaI	1	3332	5308	3332-3331
		1054	782	4099-4880	G CGCC				
		1984	449	605-1053					
		2376	442	5277-410					
		2398	410	2398-2807	KpnI	2	650	4845	1113-649
		2808	396	4881-5276	GGTAC C		1113	463	650-1112
		3818	392	1984-2375					
		3952	194	411-604	Maell	23	123	891	2558-3448
					A CGT		135	881	4550-122

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		176	781	3636-4416					
		259	690	1703-2392					
		340	246	445-690					
		445	221	691-911					
		691	213	1319-1531					
		912	187	3449-3635					
		983	171	1532-1702					
		1027	157	1027-1183					
		1184	133	4417-4549					
		1210	110	2448-2557					
		1319	109	1210-1318					
		1532	105	340-444					
		1703	83	176-258					
		2393	81	259-339					
		2405	71	912-982					
		2448	44	983-1026					
		2558	43	2405-2447					
		3449	41	135-175					
		3636	26	1184-1209					
		4417	12	123-134					
		4550	12	2393-2404					
MaeIII	15	62	819	2634-3452					
GTNAC		149	745	692-1436					
		498	690	3759-4448					
		692	501	2121-2621					
		1437	489	1437-1925					
		1926	476	4894-61					
		2121	349	149-497					
		2622	306	3453-3758					
		2634	266	4449-4714					
		3453	195	1926-2120					
		3759	194	498-691					
		4449	116	4715-4830					
		4715	87	62-148					
		4831	63	4831-4893					
		4894	12	2622-2633					
MboII	15	794	1508	4594-793					
GAAGANNNNNNNN		913	877	2817-3693					
NNNNNNNTCTTC		1497	849	1740-2588					
		1542	584	913-1496					
		1545	228	2589-2816					
		1740	210	3694-3903					
		2589	200	4151-4350					
		2817	195	1545-1739					
		3694	172	4351-4522					
		3904	167	3984-4150					
		3984	119	794-912					
		4151	80	3904-3983					
		4351	71	4523-4593					
		4523	45	1497-1541					
		4594	3	1542-1544					
MfeI	1	2083	5308	2083-2082					
C AATTG									
Mnl I	41	542	702	5148-541					
CCTC NNNNNNN		680	416	2061-2476					
NNNNNNNGAGG		686	370	4454-4823					
		772	357	3384-3740					
		844	331	2477-2807					
		895	283	4171-4453					
		975	278	2808-3085					
		1079	250	4824-5073					
		1150	248	1764-2011					
		1165	206	3934-4139					
		1263	193	3741-3933					
		1344	138	542-679					
		1350	137	1444-1580					
		1444	136	3248-3383					
		1581	120	1644-1763					
		1593	104	975-1078					
		1644	98	1165-1262					
		1764	94	1350-1443					
		2012	86	686-771					
		2052	81	1263-1343					
		2061	80	895-974					
		2477	74	5074-5147					
		2808	72	772-843					
		3086	71	1079-1149					
		3092	64	3184-3247					
		3116	51	1593-1643					
		3122	51	844-894					
		3129	40	3144-3183					
		3132	40	2012-2051					
		3144	31	4140-4170					
		3184	24	3092-3115					
		3248	15	1150-1164					
		3384	12	1581-1592					
		3741	12	3132-3143					
		3934	9	2052-2060					
		4140	7	3122-3128					
		4171	6	1344-1349					
		4454	6	680-685					
		4824	6	3116-3121					
		5074	6	3086-3091					
		5148	3	3129-3131					
MscI	2	1246	3139	3415-1245					
TGG CCA		3415	2169	1246-3414					
MseI	16	8	1819	2657-4475					
T TAA		1176	1168	8-1175					
		2034	858	1176-2033					
		2095	769	4547-7					

Sites				Fragments		Sites				Fragments	
Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends
	2216	271	2386-2656		3324	38	970-1007				
	2237	121	2095-2215		3408	32	213-244				
	2248	98	2288-2385		3431	30	2560-2589				
	2260	61	2034-2094		3570	27	2590-2616				
	2271	52	4495-4546		3576	24	377-400				
	2288	21	2216-2236		3693	23	3408-3430				
	2386	17	2271-2287		3776	13	1406-1418				
	2657	14	4476-4489		4043	9	1463-1471				
	4476	12	2248-2259		4230	9	961-969				
	4490	11	2260-2270		4434	6	3102-3107				
	4495	11	2237-2247		4633	6	3570-3575				
	4547	5	4490-4494		5205	2	2659-2660				
Msl I	7	366	2029	1741-3769	NaeI	3	2552	3742	4118-2551		
CAYNN N NRTG		1252	1904	3770-365	GCC GGC		3835	1283	2552-3834		
		1285	886	366-1251			4118	283	3835-4117		
		1435	177	1435-1611	NarI	1	3333	5308	3333-3332		
		1612	150	1285-1434	G CGCC						
		1741	129	1612-1740							
		3770	33	1252-1284							
MspA1 I	6	652	1893	938-2830	NciI	9	658	1399	1938-3336		
CMG CKG		938	1229	3439-4667	CC SGG		659	1092	4874-657		
		2831	1047	4913-651			785	764	4110-4873		
		3439	608	2831-3438			1284	654	1284-1937		
		4668	286	652-937			1938	613	3497-4109		
		4913	245	4668-4912			3337	499	785-1283		
							3497	160	3337-3496		
							4110	126	659-784		
							4874	1	658-658		
MwoI	37	91	1088	1472-2559	NcoI	4	361	1904	3765-360		
GCNNNNN NNGC		213	572	4633-5204	C CATGG		1253	1809	1253-3061		
		245	338	1008-1345			3062	892	361-1252		
		284	305	401-705			3765	703	3062-3764		
		377	267	3776-4042							
		401	255	706-960							
		706	239	2661-2899							
		961	216	3108-3323	NdeI	1	235	5308	235-234		
		970	204	4230-4433	CA TATG						
		1008	199	4434-4632							
		1346	194	5205-90							
		1406	187	4043-4229	NgoMI	3	2550	3742	4116-2549		
		1419	139	3431-3569	G CCGGC		3833	1283	2550-3832		
		1463	122	91-212			4116	283	3833-4115		
		1472	117	3576-3692							
		2560	93	284-376	NheI	1	592	5308	592-591		
		2590	84	3324-3407	G CTAGC						
		2617	83	3693-3775							
		2659	79	3023-3101	NlaIII	23	305	807	1956-2762		
		2661	72	2900-2971	CATG		365	788	365-1152		
		2900	60	1346-1405			1153	720	4535-5254		
		2972	51	2972-3022			1162	384	4151-4534		
		3023	44	1419-1462			1257	356	3795-4150		
		3102	42	2617-2658			1491	345	3207-3551		
		3108	39	245-283			1521	307	5306-304		
							1716	234	1257-1490		

		Sites		Fragments				Sites		Fragments	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			1911	195	1716-1910				3738	72	2903-2974
			1956	195	1521-1715				5255	9	1153-1161
			2763	186	3552-3737			PflMI 1 1121 5308 1121-1120			
			2903	141	3066-3206			CCANNNN NTGG			
			2975	140	2763-2902			PleI 9 405 1182 2816-3997			
			3066	95	1162-1256			GAGTCNNNN 599 916 1062-1977			
			3207	91	2975-3065			NNNNNGACTC 1062 877 3998-4874			
			3552	72	2903-2974			1978 838 4875-404			
			3738	60	305-364			2384 463 599-1061			
			3769	51	5255-5305			2392 424 2392-2815			
			3795	45	1911-1955			2816 406 1978-2383			
			4151	31	3738-3768			3998 194 405-598			
			4535	30	1491-1520			4875 8 2384-2391			
			5255	26	3769-3794						
			5306	9	1153-1161						
NlaIV GGN NCC		25	468	848	3369-4216			Pml I 1 984 5308 984-983			
			648	843	4341-5183			CAC GTG			
			656	658	1830-2487			Ppu10 I 3 2901 2905 5304-2900			
			663	553	5223-467			A TGCAT 2973 2331 2973-5303			
			783	538	1292-1829			5304 72 2901-2972			
			942	389	2945-3333			Psp1406 I 1 691 5308 691-690			
			963	191	2521-2711			AA CGTT			
			1111	180	468-647			PstI 1 639 5308 639-638			
			1138	161	2712-2872			CTGCA G			
			1193	159	783-941			PvuII 2 2831 4700 3439-2830			
			1292	148	963-1110			3439 608 2831-3438			
			1830	120	663-782			RsaI 11 220 1889 3639-219			
			2488	99	1193-1291			GT AC 245 1673 1966-3638			
			2509	79	4217-4295			300 573 1111-1683			
			2521	72	2873-2944			333 463 648-1110			
			2712	55	1138-1192			384 282 1684-1965			
			2873	45	4296-4340			541 157 384-540			
			2945	39	5184-5222			648 107 541-647			
			3334	35	3334-3368			1111 55 245-299			
			3369	27	1111-1137			1684 51 333-383			
			4217	21	942-962			1966 33 300-332			
			4296	21	2488-2508			3639 25 220-244			
			4341	12	2509-2520			RsrII 1 3849 5308 3849-3848			
			5184	8	648-655			CG GWCCG			
			5223	7	656-662			SacI 1 621 5308 621-620			
NotI GC GCCCGC		1	1977	5308	1977-1976			GAGCT C			
NsiI ATGCA T		3	2905	2905	5308-2904			SacII 1 653 5308 653-652			
			2977	2331	2977-5307						
			5308	72	2905-2976						
NspI RCATG Y		6	1153	1741	1162-2902						
			1162	1517	3738-5254						
			2903	1206	5255-1152						
			2975	763	2975-3737						

Sites					Fragments					
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
Sal I G TCGAC	1	640	5308	640-639	CC NNGG	284	472	4402-4873		
SapI GCTCTTCN NNNNGAAGAGC	2	3677 3887	5098 210	3887-3676 3677-3886		658	396	2941-3336		
Sau3AI GATC	25	586 610 661 1125 1130 1754 1902 1940 1990 3170 3174 3193 3504 3582 3663 3672 3750 4126 4142 4501 4513 4591 4599 4610 4685	1209 1180 624 464 376 359 311 148 81 78 78 78 75 51 50 38 24 19 16 12 11 9 8 5 4	4685-585 1990-3169 1130-1753 661-1124 3750-4125 4142-4500 3193-3503 1754-1901 3582-3662 3672-3749 3504-3581 4513-4590 4610-4684 610-660 1940-1989 1902-1939 586-609 3174-3192 4126-4141 4501-4512 4599-4609 3663-3671 4591-4598 1125-1129 3170-3173						
Sau96 I G GNCC	18	84 277 654 655 781 782 795 1137 1191 1427 1828 1911 2440 3849 4294 4340 4398 4431	1409 961 529 445 401 377 342 236 193 126 83 58 54 46 33 13 1 1	2440-3848 4431-83 1911-2439 3849-4293 1427-1827 277-653 795-1136 1191-1426 84-276 655-780 1828-1910 4340-4397 1137-1190 4294-4339 4398-4430 782-794 654-654 781-781						
ScrFI	27	91	931	1938-2868	SexAI A CCWGGT	1	2922	5308	2922-2921	
					SfaNI GCATC NNNNN NNNNNNNNNGATGC ...	16	358 1088 1353	1183 763 730	3971-5153 2149-2911 358-1087	
					SfcI C TRYAG	5	635 916 2668 4795 4986	2127 1752 957 281 191	2668-4794 916-2667 4986-634 635-915 4795-4985	

<u>Sites</u>					<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>					<u>Fragments</u>			
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		
Sfil GGCCNNNN NGGCC	1	3108	5308	3108-3107			641	713	1769-2481			1170	691	2482-3172		
SmaI CCC GGG	1	659	5308	659-658			1304	529	641-1169			1598	294	1304-1597		
SnaBI TAC GTA	1	341	5308	341-340			1625	273	3173-3445			1640	255	4060-4314		
SphI GCATG C	3	2903 2975 3738	4473 763 72	3738-2902 2975-3737 2903-2974			1769	191	3824-4014			2482	162	3662-3823		
SspI AAT ATT	2	2241 2794	4755 553	2794-2240 2241-2793			3173	156	3446-3601			3446	134	1170-1303		
StuI AGG CCT	1	3154	5308	3154-3153			3602	129	1640-1768			3626	45	4015-4059		
StyI C CWWGG	7	361 819 1253 3062 3155 3765 4170	1809 1499 610 458 434 405 93	1253-3061 4170-360 3155-3764 361-818 819-1252 3765-4169 3062-3154			3662	36	3626-3661			3824	27	1598-1624		
Tail ACGT	23	126 138 179 262 343 448 694 915 986 1030 1187 1213 1322 1535 1706 2396 2408 2451 2561 3452 3639 4420 4553	891 881 781 690 246 221 213 187 171 157 133 110 109 105 83 81 71 44 43 41 26 12 12	2561-3451 4553-125 3639-4419 1706-2395 448-693 694-914 1322-1534 3452-3638 1535-1705 1030-1186 4420-4552 2451-2560 1213-1321 343-447 179-261 262-342 915-985 986-1029 2408-2450 138-178 1187-1212 126-137 2396-2407			4060	15	1625-1639			4315	13	615-627		
TaqI T CGA	20	615 628	838 770	4315-5152 5153-614			5153	13	628-640			5	3818 3952 4062 4099 5277	3849 1178 134 110 37	5277-3817 4099-5276 3818-3951 3952-4061 4062-4098	
													20	935 1413 1494 1778 1785 1836 1839 2109 2628 3293 3394 3436 3477 3570 3957 4410 4636 4842 4845 4910	1333 665 519 478 453 387 284 270 226 206 101 93 81 65 51 42 41 7 3 3	4910-934 2628-3292 2109-2627 935-1412 3957-4409 3570-3956 1494-1777 1839-2108 4410-4635 4636-4841 3293-3393 3477-3569 1413-1493 4845-4909 1785-1835 3394-3435 3436-3476 1778-1784 1836-1838 4842-4844
													5	1437 1926 2622 3453 3759	2986 831 696 489 306	3759-1436 2622-3452 1926-2621 1437-1925 3453-3758
													11	19	1453	630-2082

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
	Number	Position	Length	Ends
AATT		630	1418	3073-4490
		2083	836	4491-18
		2147	647	2262-2908
		2225	611	19-629
		2251	92	2981-3072
		2262	78	2147-2224
		2909	72	2909-2980
		2981	64	2083-2146
		3073	26	2225-2250
		4491	11	2251-2261
TspRI	7	1026	1478	4856-1025
CAGTGNN		1468	1283	2179-3461
CACTGNN		2179	1110	3462-4571
		3462	711	1468-2178
		4572	442	1026-1467
		4843	271	4572-4842
		4856	13	4843-4855
Tth111 I GACN NNGTC	1	3451	5308	3451-3450
XbaI T CTAGA	1	1987	5308	1987-1986
XhoI C TCGAG	1	614	5308	614-613
XmaI C CCGGG	1	657	5308	657-656
XmnI GAANN NNTTC	1	880	5308	880-879

The following restriction enzymes do not cut pIRES2-EGFP:

AgeI, AhdI, AscI, Bcl I, BlpI, BsiWI, BsmBI, BspEI, BssHII, Bst1107 I,
BstEII, EcoNI, EcoRV, FseI, MluI, NruI, PacI, PmeI, PpuMI, PshAI,
PvuI, ScaI, SgfI, SgrAI, SpeI, SrfI, Sse8387 I, SwaI, XcmI.